



2 ej
23

UNIVERSIDAD NACIONAL AUTÓNOMA DE MÉXICO

FACULTAD DE CIENCIAS

T I T U L O

MODELO MATEMÁTICO APLICADO A
LA DINÁMICA DE POBLACIONES
DEL SARAMPION EN MÉXICO

T E S I S

QUE PARA OBTENER EL TÍTULO DE:

MATEMÁTICO

PRESENTA:

JUAN FIACRO HERNÁNDEZ CRUZ

MEXICO, D. F.



1989



Universidad Nacional
Autónoma de México



UNAM – Dirección General de Bibliotecas Tesis Digitales Restricciones de uso

DERECHOS RESERVADOS © PROHIBIDA SU REPRODUCCIÓN TOTAL O PARCIAL

Todo el material contenido en esta tesis está protegido por la Ley Federal del Derecho de Autor (LFDA) de los Estados Unidos Mexicanos (México).

El uso de imágenes, fragmentos de videos, y demás material que sea objeto de protección de los derechos de autor, será exclusivamente para fines educativos e informativos y deberá citar la fuente donde la obtuvo mencionando el autor o autores. Cualquier uso distinto como el lucro, reproducción, edición o modificación, será perseguido y sancionado por el respectivo titular de los Derechos de Autor.

I N D I C E.

INDICE.....	i
INTRODUCCION.....	1
I. MODELO BASICO Y TEORIA.....	4
II. SOLUCION GENERAL DEL MODELO BASICO EN EQUILIBRIO.....	17
III. GRUPOS DE EDAD. ALGUNAS CARACTERES RELEVANTES.....	27
IV. CALCULO DE LA FUERZA DE LA INFECCION Y DE LA EDAD PROBLEMA DE LA INFECCION.....	41
RESULTADOS.....	54
DISCUSION.....	55
APENDICE A.....	57
APENDICE B.....	59
REFERENCIAS.....	61

INTRODUCCION.

El interés por desarrollar modelos matemáticos de las enfermedades infecciosas se ha debido a la necesidad de un mayor entendimiento acerca de la dinámica de transmisión de las enfermedades infecciosas y de la inmunidad en las poblaciones humanas.

Los primeros trabajos matemáticos sobre enfermedades infecciosas fueron esencialmente de carácter determinístico, i. e. no tomaron en cuenta los aspectos probabilísticos del proceso en estudio. Entre los que hicieron estudios de este tipo entre 1906 y 1930 están H. Hamer, R. Ross, Soper, Kermack, McKendrick, y otros que también son importantes.

Después de 1930 también se han hecho estudios determinísticos por Greenwood, Bailey, Weiss, R. Anderson, R. Hay y otros que también son importantes.

Los modelos estocásticos surgieron después de los modelos determinísticos al rededor de 1926 y son de importancia considerable en la teoría epidémica. Entre los que han hecho estudios de este tipo están: McKendrick, Reed, Frost, Bartlett, Bailey, Griffiths, Dietz, Doenton y otros que también son importantes.

Lamentablemente los modelos matemáticos de enfermedades infecciosas han sido desarrollados principalmente en países desarrollados, no obstante las enfermedades infecciosas han afligido y afligen más a los países en desarrollo. La mayoría de los modelos suponen una población de magnitud constante, pues en los países desarrollados las tasas de natalidad son casi iguales a las de mortalidad, cosa que no sucede en los países en desarrollo y por eso los modelos no se pueden aplicar directamente en los países en desarrollo.

Una de las enfermedades infecciosas que aflige aun a los países en desarrollo es el sarampión, pues ocurren al año unas 900 mil muertes aproximadamente causadas por sarampión en los países en desarrollo, siendo así una de las principales causas de morbilidad y mortalidad en el mundo en desarrollo (Walch y Warren, 1979)

Dada la importancia del sarampión, en esta tesis se explora la dinámica de dicha enfermedad con datos de México haciendo uso del modelo matemático propuesto por R. Anderson y R. Hay en 1985 (12), así como también de algunas innovaciones propuestas por Marco José en 1988 (13). Se hace un programa de computadora con el cual se automatiza el cálculo de cantidades relevantes como son: la fuerza de la infección por grupo de edad, la proporción de individuos seropositivos por grupo de edad y la edad promedio de la infección. Se calcula además un rango de edad en el cual

vacunar contra el sarampión, para lo cual se toma en cuenta que la mayoría de los niños nacen con anticuerpos provenientes de la madre en contra de los antígenos virales del sarampión (3) y que la fuerza de la infección depende de la edad (Collins, 1929; Griffiths, 1974; Anderson-Hay, 1982-85; Vietz-Schönle, 1984).

Se pretende que la presente tesis sea de interés no sólo para matemáticos sino también para los investigadores en salud pública por lo cual se trata de ser lo más explícito posible en los pasos matemáticos.

I. MODELO BASICO Y TEORIA.

En este capítulo se presenta el modelo matemático del sarampión propuesto por E. Anderson y R. Hay en The Journal of Hygiene-Cambridge, University Press, 1985. Se muestra como llegar paso a paso a una expresión explícita para la fuerza de la infección y se muestra como esta relacionada la tasa reproductiva básica con la edad promedio de la infección.

NOTACION

$X(a)$ = número de individuos susceptibles de edad a .

$H(a)$ = número de individuos latentes de edad a .

$Y(a)$ = número de individuos infecciosos de edad a .

$Z(a)$ = número de individuos inmunes de edad a .

$1/\sigma$ = la duración promedio del periodo latente.

$1/\gamma$ = la duración promedio del periodo infeccioso.

$\lambda(a,t)$ = tasa per capita de infección o fuerza de infección que depende de la edad y del tiempo.

$B(a,a')$ = coeficiente de transmisión que mide el número de contactos entre individuos susceptibles de edad a e individuos infecciosos de edad a' .

L = la esperanza de vida humana.

N = tamaño total de la población que es constante

$N(a)$ = número de individuos de la población que tienen edad a

$\mu(a)$ = la tasa neta de mortalidad que depende de la edad.

$\ell(a)$ = función de sobrevivencia que depende de la edad

$x(a)$ = proporción de individuos susceptibles en la población que tienen edad a

MODELO BÁSICO.

Supongamos que tenemos una población humana compuesta por individuos susceptibles, latentes, infecciosos e inmunes que varían con la edad, a , y el tiempo, t , ($X(a,t)$, $H(a,t)$, $Y(a,t)$ y $Z(a,t)$ respectivamente) y sólo por este tipo de individuos. De modo que si $N(a,t)$ es el número de individuos de la población de edad a , al tiempo, t , entonces

$$N(a,t) = X(a,t) + H(a,t) + Y(a,t) + Z(a,t)$$

El "modelo básico" puede deducirse observando que tenemos cuatro clases de individuos en la población humana, a saber, susceptibles, latentes, infecciosos e inmunes y que estos fluyen de una clase a otra como sigue:

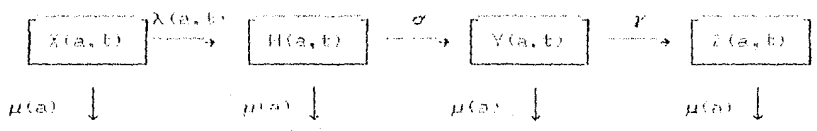


FIGURA I.1. DIAGRAMA DE FLUJO

El diagrama anterior nos muestra que los individuos susceptibles pasan a ser individuos latentes con una tasa percapita $\lambda(a,t)$, los individuos latentes pasan a ser individuos infecciosos con una tasa percapita σ , los individuos infecciosos pasan a ser individuos inmunes con una tasa percapita γ , y que todos los tipos de individuos se mueren con una tasa de mortalidad $\mu(a)$.

Las ecuaciones determinísticas (ecuaciones que no toman en cuenta aspectos probabilísticos del proceso) del "sistema básico" que describe el flujo de una clase a otra son:

$$\frac{\partial X(a,t)}{\partial t} + \frac{\partial X(a,t)}{\partial a} = - [\mu(a) + \lambda(a,t)] X(a,t) \quad (1)$$

$$\frac{\partial H(a,t)}{\partial t} + \frac{\partial H(a,t)}{\partial a} = \lambda(a,t) X(a,t) - [\mu(a) + \sigma] H(a,t) \quad (2)$$

$$\frac{\partial Y(a,t)}{\partial t} + \frac{\partial Y(a,t)}{\partial a} = \sigma H(a,t) - [\mu(a) + \gamma] Y(a,t) \quad (3)$$

$$\frac{\partial Z(a,t)}{\partial t} + \frac{\partial Z(a,t)}{\partial a} = \gamma Y(a,t) - [\mu(a)] Z(a,t) \quad (4)$$

En donde

$$\lambda(a,t) = \int_0^{\infty} \beta(a,s) Y(s,t) da \quad \text{es la fuerza de la infección.}$$

FUNCIONES DE SOBREVIVENCIA.

Generalmente el patrón de mortalidad observado en las comunidades humanas es el siguiente: hay muchas muertes en la infancia, pocas en la niñez, se incrementan en la adolescencia y edad madura y se incrementan aún más en los viejos y ancianos.

FIG. (1.2).

Para medir los efectos de la mortalidad se define la función de sobrevivencia, $l(a)$, como sigue:

Definición 1.1 La función de sobrevivencia, $l(a)$, es la probabilidad de que un individuo recién nacido sobreviva hasta la edad a y tal que

- a) $l(a)$ es una función decreciente y continua para $0 \leq a \leq \omega$ en donde ω es el límite superior de la vida.
- b) $l(0) = 1$
- c) $l(\omega) = 0$

Teóricamente hay cuatro tipos básicos de sobrevivencia

FIG. (1.3)

- a) En la sobrevivencia tipo I los individuos no se mueren mientras tengan su edad entre los cero años y el límite superior de la vida.
- b) En la sobrevivencia tipo II hay un número constante de muertes por unidad de tiempo FIG. (1.V).

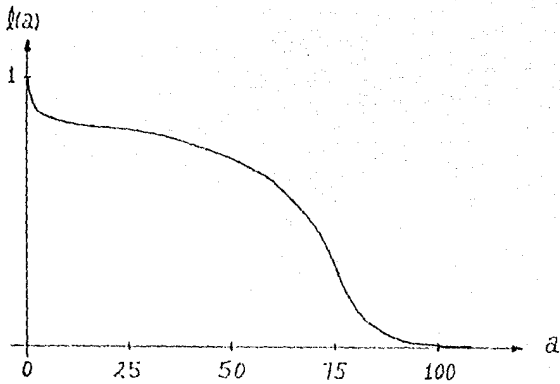


FIG. (1.2) : PATRÓN DE MORTALIDAD OBSERVADO EN LAS COMUNIDADES RURALES. (131)

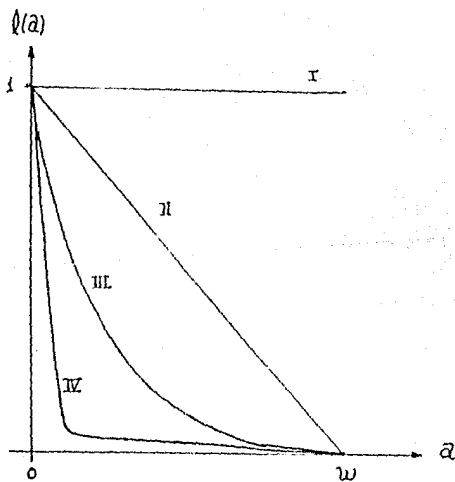


FIG. (1.3) : LOS CUATRO TIPOS BÁSICOS DE SOBREVIVENCIA. (141)

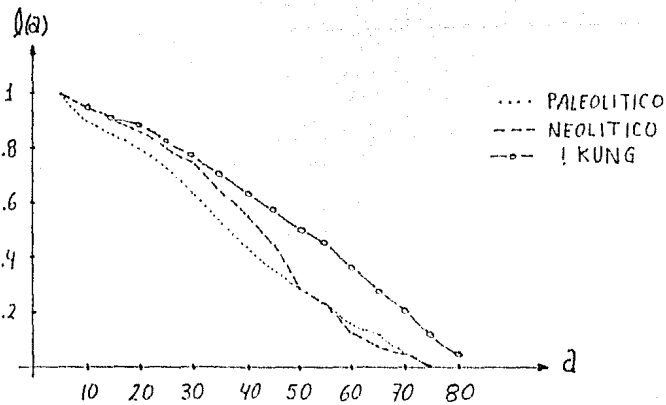


FIG. (1.4) : FUNCIONES DE SOBREVIVENCIA PARA EL PALEOLITICO, EL NEOLITICO, Y PARA LA TRIBU CONTEMPORANEA !KUNG. (TOBADO DE LA REVISTA DE SALUD PUBLICA DE MEXICO, N. JOSE Y R. BORGARO, No. 1, 1989)

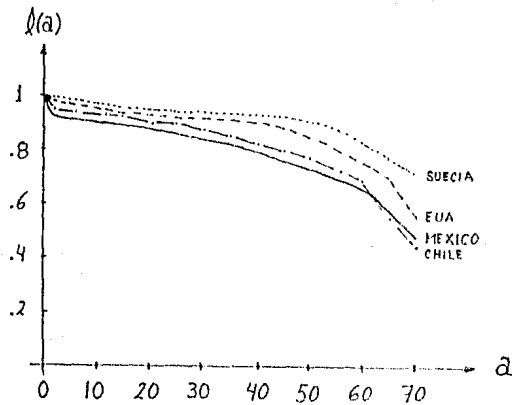


FIG. (1.5) : FUNCIONES DE SOBREVIVENCIA PARA DISTINTOS PAISES, CONSTRUIDAS CON 100 000 NAZIDOS VIVOS. (TOBADO DE LA REVISTA DE SALUD PUBLICA DE MEXICO, N. JOSE Y R. BORGARO, No. 1, 1989)

c) En la sobrevivencia tipo III una fracción constante de individuos vivos mueren por unidad de tiempo.

d) En la sobrevivencia tipo IV la mortalidad afecta a los individuos más jóvenes.

Pero comúnmente las fuentes de mortalidad varían con la edad del individuo trayendo como consecuencia que la curva de sobrevivencia sea una mezcla de las curvas de sobrevivencia teóricamente posibles. Curvas de sobrevivencia derivadas de la experiencia se ilustran en la FIG. (1.5).

La función de sobrevivencia puede conocerse si conocemos la tasa neta de mortalidad, $\mu(a)$, veamos como

Sea l_0 el número de individuos recién nacidos.

y l_a el número de individuos que sigue vivos a la edad a .

$$\text{Ahora } l_a \text{ es tal que } l_a = l_0 Z(a) \quad (15)$$

$$\rightarrow l_a^{(1)} = l_0 l^{(1)}(a) \quad \text{en donde } (1) = d / da$$

y siendo la tasa neta de mortalidad, $\mu(a)$, igual a

$$\mu(a) = - l_a^{(1)} / l(a) \quad (15)$$

Tenemos que

$$\mu(a) = -\ell^{(1)}(a) / \ell(a)$$

De donde la función de sobrevivencia queda dada por

$$\ell(a) = \exp \left(- \int_0^a \mu(a') da' \right)$$

Esta expresión permite conocer la función de sobrevivencia si conocemos la función de mortalidad, $\mu(a)$.

Con el propósito de ilustrar, en esta tesis se utilizará la función de mortalidad tipo I que esta dada por

$$\mu(a) = \begin{cases} 0 & , a \leq L \\ \infty & , a > L \end{cases}$$

y también se utilizará la función sobrevivencia tipo I que esta dada por

$$\ell(a) = \begin{cases} 1 & , a \leq L \\ 0 & , a > L \end{cases}$$

EQUILIBRIO ENDEMICO Y ALGUNAS CANTIDADES RELEVANTES.

Si en el modelo básico suponemos que:

- a) La población humana es de magnitud constante, H .
- b) Que la enfermedad del sarampión esta en equilibrio endemico.
- i. e. que la derivada parcial de cualquier variable con respecto al tiempo es cero.
- c) Que el coeficiente de transmisión λ , β , es constante.
- d) Que todos los recién nacidos son susceptibles
- i. e. $X(0) = H(0)$ y $H(0) = Y(0) = Z(0) = 0$
- e) Que la tasa neta de mortalidad $\mu(a)$ es tipo I

Entonces el modelo básico se transforma en el siguiente

- (i) $X^{(1)}(a) = -[\lambda + \mu] X(a)$
- (ii) $H^{(1)}(a) = \lambda X(a) - [\sigma + \mu] H(a)$
- (iii) $Y^{(1)}(a) = \sigma Y(a) - [\gamma + \mu] Y(a)$
- (iv) $Z^{(1)}(a) = \gamma Y(a) - \mu(a) Z(a)$

En donde $\lambda = \beta \int_0^{\infty} Y(a) da$ es constante y $(1) = d / da$

La fuerza de la infección, λ es una cantidad relevante y en seguida se mostrara como llegar paso a paso una fórmula para λ .

Observemos que si sumamos las ecuaciones (i)-(iv) obtenemos

$$N^{(1)}(a) = -\mu(a) N(a)$$

Y ésta es una ecuación diferencial que tiene como solución

$$N(a) = N(0) e^{-\int_0^a \mu(a) da} \quad \forall a \geq 0$$

Pero como la tasa neta de mortalidad es tipo I tenemos que

$$(1.4) \quad N(a) = \begin{cases} N(0) & , a \leq L \\ 0 & , a > L \end{cases}$$

Y como la cantidad de individuos de edad a está dada por

$$N(a) = X(a) + H(a) + Y(a) + Z(a)$$

Se sigue que no hay tipo de individuo alguno después de la edad

L , i. e.

$$(1.5) \quad N(a) = X(a) = H(a) = Y(a) = Z(a) = 0 \quad \text{para } a > L$$

Por otro lado nótese que la ecuación (i) es una ecuación diferencial lineal y su solución se desarrolla a continuación suponiendo que $a \leq L$.

$$X^{(1)}(a) = -[\mu(a) + \lambda] X(a)$$

Pero como μ es de tipo I obtenemos

$$X^{(1)}(a) = -\lambda X(a)$$

$$\Rightarrow X^{(1)}(a) / X(a) = -\lambda$$

$$\Rightarrow \int_0^a \frac{X'(a)}{X(a)} da = \int_0^a -\lambda da$$

$$\Rightarrow \ln \left[\frac{X(a)}{X(0)} \right] = -a\lambda$$

$$\Rightarrow \ln [X(a) / X(0)] = -a\lambda$$

Y en consecuencia el número de individuos susceptibles de edad a está dado por

$$(1.6) \quad X(a) = X(0) e^{-\lambda a} \quad \text{para } a \leq L$$

Definición 1.2. La proporción de individuos susceptibles de edad a está dada por $x(a) = X(a) / H(a)$

Observemos que si sustituimos (1.4) y (1.6) en la definición 1.1 obtenemos

$$(1.7) \quad x(a) = e^{-\lambda a} \quad \text{para } a \leq L$$

Esto nos conduce a la siguiente expresión para la fuerza de la infección

$$(1.8) \quad \lambda = - [\ln x(a)] / a \quad \text{para } a \leq L$$

Nótese que la fórmula (1.8) permite conocer la fuerza de la infección siempre que conozcamos la proporción de individuos susceptibles de al menos una edad.

La tasa reproductiva básica, R_0 , es otra cantidad relevante y en seguida se mostrara como llegar paso a paso una fórmula para R_0 .

Definición 1.3. La tasa reproductiva básica o intrínseca, R_0 , es el número promedio de casos secundarios producidos por un individuo infeccioso en una población totalmente susceptible.

Definición 1.4. La edad promedio de la infección, \bar{a} , está dada por

$$\bar{a} = \int_0^L \lambda a x(a) da / \int_0^L \lambda x(a) da$$

Observemos que

$$(1.9) \quad \begin{aligned} \int_0^L \lambda a x(a) da &= \int_0^L \lambda a e^{-\lambda a} da \\ &= - e^{-\lambda a} (1 + \lambda a) / \lambda \Big|_0^L \\ &= [1 - e^{-\lambda L} (1 + \lambda L)] / \lambda \end{aligned}$$

$$\begin{aligned}
 (1.10) \quad \int_0^L \lambda x(a) da &= \int_0^L \lambda^{-1} e^{-\lambda a} da \\
 &= \left[-\frac{1}{\lambda} e^{-\lambda a} \right]_0^L \\
 &= 1 - e^{-\lambda L}
 \end{aligned}$$

Si se sustituye (1.9) y (1.10) en la expresión de la edad promedio de la infección obtenemos

$$(1.11) \quad \bar{a} = \left[1 - (1 + \lambda L) e^{-\lambda L} \right] / \left\{ (1 - e^{-\lambda L}) + \lambda \right\}$$

Para la enfermedad del sarampión hay evidencia empírica de que la edad promedio de la infección es mucho menor que la esperanza de vida, i. e. $\bar{a} \ll L$, lo cual quiere decir que λ es "grande", además cuando la infección del sarampión está en equilibrio endémico la siguiente igualdad es válida

$$(1.12) \quad R_0 \hat{x} = 1 \quad (12)$$

En donde \hat{x} es la proporción total de la población que es susceptible, y está dada por $\hat{x} = \int_0^L x(a) da / \int_0^L N(a) da$

Observemos que si sustituimos (1.4) y (1.6) en \hat{x} obtenemos

$$\hat{x} = \int_0^L x(0) e^{-\lambda a} da / \int_0^L N(0) da$$

$$\Rightarrow \hat{r} = \int_0^L e^{-\lambda a} da / \int_0^L da$$

De modo que

$$(1.13) \quad \hat{r} = (1 - e^{-\lambda L}) / \lambda L$$

Pero como λ es "grande" y $L \approx 70$ se sigue que $\exp(-\lambda L) \approx 0$ y llegamos a las siguientes expresiones:

$$(1.14) \quad r \approx 1 / \lambda L \quad [\text{véase 1.13}]$$

$$(1.15) \quad \hat{a} \approx L / \lambda \quad [\text{véase 1.11}]$$

Y como $R_0 \hat{r} = 1$ entonces $R_0 = 1 / \hat{r}$

Y luego utilizando (1.14) y (1.15) obtenemos

$$(1.16) \quad R_0 \approx \lambda L \approx L / \hat{a} \quad [\text{véase 1.15}]$$

Esta expresión permite conocer de manera aproximada la tasa reproductiva básica con sólo conocer la edad promedio de la infección y la esperanza de vida, L .

ERRADICACION DE LA ENFERMEDAD.

Considerando una población humana en donde la enfermedad del sarampión esta en equilibrio endémico y en donde no todos los individuos de la población son susceptibles necesitamos saber el número promedio de casos secundarios producidos por un individuo infeccioso, a este promedio se le denota por R y es conocido como tasa reproductiva efectiva. Además R es tal que $R = R_0 \hat{x}$ [2]

Para lograr erradicar la enfermedad del sarampión mediante la inmunización de la población debe lograrse que el valor de la tasa reproductiva efectiva sea menor que uno. Intuitivamente esto quiere decir que se necesita que en promedio cada caso primario genere menos de un caso secundario. Sea p la proporción total de la población que no es susceptible

i. e. $p = 1 - \hat{x}$

Observemos que

$$R < 1 \iff R_0 \hat{x} < 1$$

$$\iff R_0 (1 - p) < 1 \iff$$

$$\iff p > 1 - 1/R_0$$

Y utilizando la notación $p_c = 1 - 1/R_0$. Lo anterior sugiere que para erradicar la infección del sarampión mediante la inmunización de la población se debe vacunar una proporción mayor a p_c de niños que tengan un año de edad aproximadamente.

ERRADICACIÓN DE LA ENFERMEDAD.

Considerando una población humana en donde la enfermedad del sarampión está en equilibrio endémico y en donde no todos los individuos de la población son susceptibles necesitamos saber el número promedio de casos secundarios producidos por un individuo infeccioso, a este promedio se le denota por R y es conocido como tasa reproductiva efectiva. Además R es tal que $R = R_0 \hat{x}$ [2]

Para lograr erradicar la enfermedad del sarampión mediante la inmunización de la población debe lograrse que el valor de la tasa reproductiva efectiva sea menor que uno. Intuitivamente esto quiere decir que que se necesita que en promedio cada caso primario genere menos de un caso secundario. Sea p la proporción total de la población que no es susceptible

$$\text{i. e. } p = 1 - \hat{x}$$

Observemos que

$$R < 1 \iff R_0 \hat{x} < 1$$

$$\iff R_0(1 - p) < 1 \iff$$

$$\iff p > 1 - 1/R_0$$

Y utilizando la notación $p_c = 1 - 1/R_0$. Lo anterior quiere que para erradicar la infección del sarampión mediante la inmunización de la población se debe vacunar una proporción mayor a p_c de niños que tengan un año de edad aproximadamente.

II SOLUCION GENERAL DEL MODELO BASICO EN EQUILIBRIO.

En este capítulo se trata el modelo básico dado por las ecuaciones (1)-(4), en el estado de equilibrio. Se llega paso a paso a las fórmulas para el número de individuos de edad específica que son susceptibles, latentes, infecciosos e inmunes y se da la fuerza de la infección implícitamente en una ecuación integral.

H O T A C I O N.

$\beta(a, a')$ = coeficiente de transmisión que mide el número de contactos entre individuos susceptibles de edad a e individuos infecciosos de edad a' .

$X(a)$ = número de individuos susceptibles de edad a .

$H(a)$ = número de individuos latentes de edad a .

$Y(a)$ = número de individuos infecciosos de edad a .

$Z(a)$ = número de individuos inmunes de edad a .

$N(a) = X(a) + H(a) + Y(a) + Z(a)$ es el número total de individuos de edad a .

$\lambda(a)$ = fuerza de la infección.

$\phi(a) = \int_0^a \lambda(a') da'$, $m(a) = \int_0^a \mu(a') da'$ y $(1) = d / da$

$\mu(a)$ = tasa neta de mortalidad.

$l(a)$ es una función de sobrevivencia.

α^{-1} y γ^{-1} es la duración promedio del período latente e infeccioso respectivamente.

SOLUCIONES EN EQUILIBRIO.

En la literatura de las enfermedades infecciosas (como son sarampión, tosferina, rubeola y otras) se pueden encontrar artículos que hablen acerca de que la fuerza de la infección, λ , varía con la edad de los individuos, algunos de estos artículos son los de: Collins, 1929; Griffiths, 1974; Anderson y Hay, 1982; Dietz-Schenle, 1984, Anderson y Hay, 1985. Estos autores han enfatizado la dependencia de la fuerza de la infección dentro de una clase dada, sobre los grados relativos de contacto que los susceptibles de esa edad tienen con los individuos infecciosos de todas las clases.

Lo anterior sugiere no soslayar en el modelo el hecho de que la fuerza de la infección, λ , está en función de la edad.

Para conseguir lo anterior consideremos que el sarampión esta en equilibrio endémico (i. e. que la derivada parcial de cualquier variable con respecto al tiempo es cero) de modo que el modelo toma la forma siguiente

$$(i.2) \quad X^{(1)}(a) = -[\mu(a) + \lambda(a)] X(a)$$

$$(ii.2) \quad H^{(1)}(a) = \lambda(a) X(a) - [\mu(a) + \sigma] H(a)$$

$$(iii.2) \quad Y^{(1)}(a) = \sigma Y(a) - [\mu(a) + \gamma] Y(a)$$

$$(iv.2) \quad Z^{(1)}(a) = \gamma Y(a) - [\mu(a)] Z(a)$$

En donde imponemos el conjunto de condiciones frontera siguiente

$$X(0) = N(0) \quad y \quad H(0) = Y(0) = Z(0) = 0$$

El modelo anterior es esencialmente el modelo que está dado por las ecuaciones (i)-(iv) en el capítulo I, pero en el que la fuerza de la infección, λ , es como se indica en la siguiente

Definición 11.1. La fuerza de la infección bajo el supuesto de "acción de masas" (supuesto de que la tasa neta de transmisión es directamente proporcional al producto de la densidad de individuos susceptibles por la densidad de individuos infecciosos) y suponiendo que la enfermedad está en equilibrio endémico, queda dada por

$$(iv.2) \quad \lambda(a) = \int_0^{\infty} \beta(a, a') Y(a') da'$$

Obsérvese que las ecuaciones (i.2)-(iv.2) son lineales si $\lambda(a)$ se trata como un parámetro y pueden integrarse explícitamente como se hace a continuación

Empecemos con la ecuación (i.2)

$$x^{(1)}(a) = - [\mu(a) + \lambda(a)] x(a)$$

$$x^{(1)}(a) / x(a) = - [\mu(a) + \lambda(a)]$$

Luego integrando ambos miembros de 0 a a obtenemos

$$\int_{x(0)}^{x(a)} \frac{dx}{x} = - \int_0^a [\mu(a') + \lambda(a')] da'$$

$$\Rightarrow \ln \left[\frac{\chi(a)}{\chi(0)} \right] = - \int_0^a [\mu(a') + \lambda(a')] da'$$

Y en consecuencia el número de individuos susceptibles de edad a queda dado por

$$(2.1) \quad \chi(a) = \chi(0) \exp[-\phi(a)]$$

Sigamos ahora con la ecuación (1.2) que también es lineal

$$H^{(1)}(a) = \lambda(a) \chi(a) - [\mu(a) + \sigma] H(a)$$

$$\Rightarrow H^{(1)}(a) + [\mu(a) + \sigma] H(a) = \lambda(a) \chi(a)$$

Y luego multiplicando por el siguiente factor de integración

$$\exp \left(\int_0^a [\sigma + \mu(a')] da' \right) = \exp (a\sigma + m(a))$$

Obtenemos

$$H^{(1)}(a) e^{a\sigma+m(a)} + [\mu(a) + \sigma] H(a) e^{a\sigma+m(a)} = \lambda(a) \chi(a) e^{a\sigma+m(a)}$$

Y esto puede verse como

$$[H(a) e^{a\sigma+m(a)}]^{(1)} = \lambda(a) \chi(a) e^{a\sigma+m(a)}$$

Luego integrando de 0 a a obtenemos

$$H(a) \cdot e^{a(\sigma+m(a))} \Big|_0^a = \int_0^a \lambda(a') \cdot X(a') \cdot e^{a'(\sigma+m(a'))} da'$$

$$\Rightarrow H(a) \cdot e^{a(\sigma+m(a))} - H(0) = \int_0^a \lambda(a') \cdot X(a') \cdot e^{a'(\sigma+m(a'))} da'$$

Por último tomando en cuenta que $H(0) = 0$ y suponiendo conocida la función $X(a)$ dada por (2.1) obtenemos

$$H(a) = e^{-[a(\sigma+m(a))]} \int_0^a \lambda(a') \cdot X(a') \cdot e^{-\phi(a') - m(a')} \cdot e^{a'(\sigma+m(a'))} da'$$

Y esto nos conduce a la siguiente expresión para el número de individuos latentes de edad a

$$(2.2) \quad H(a) = X(0) \cdot Z(a) \int_0^a \lambda(a') \cdot e^{-\sigma(a-a')} \cdot e^{-\phi(a')} da'$$

Veamos ahora como se resuelve la ecuación (iii.2) que también es una ecuación diferencial lineal

$$Y^{(1)}(a) = \sigma H(a) - [\mu(a) + \gamma] Y(a)$$

$$\Rightarrow -Y^{(1)}(a) + [\mu(a) + \gamma] Y(a) = \sigma H(a)$$

Luego multiplicando por el siguiente factor de integración a ambos lados de la ecuación

$$\exp \left(\int_0^a (\gamma + \mu(a')) da' \right) = \exp(a \gamma + m(a))$$

Otendemos

$$Y'(a) e^{a\gamma + m(a)} + [\mu(a) + \gamma] Y(a) e^{a\gamma + m(a)} = \sigma H(a) e^{a\gamma + m(a)}$$

Y esto último puede escribirse como

$$\left(Y(a) e^{a\gamma + m(a)} \right)' = \sigma H(a) e^{a\gamma + m(a)}$$

Luego integrando ambos miembros de 0 a a obtenemos

$$Y(a) e^{a\gamma + m(a)} \Big|_0^a = \int_0^a \sigma H(a') e^{a'\gamma + m(a')} da'$$

Esto nos conduce a la siguiente expresión para los individuos infecciosos de edad a

$$Y(a) e^{a\gamma + m(a)} - Y(0) = \int_0^a \sigma H(a') e^{a'\gamma + m(a')} da'$$

Por último tomando en cuenta que $Y(0) = 0$ y suponiendo conocida la función $H(a)$ dada por (2.2) obtenemos la siguiente expresión para el número de individuos infecciosos de edad a

$$(2.3) \quad Y(a) = \sigma I(a) \int_0^a H(a') e^{m(a')} - \gamma(a - a') da'$$

La ecuación (iv.2) claramente es también una ecuación diferencial lineal, vamos como se resuelve

$$z^{(1)}(a) = \gamma Y(a) - \mu(a) z(a)$$

$$\Rightarrow z^{(1)}(a) + \mu(a) z(a) = \gamma Y(a)$$

Ahora, multiplicando por el factor de integración

$$\exp\left(\int_0^a \mu(a') da'\right) = e^{m(a)}$$

Obtenemos

$$z^{(1)}(a) e^{m(a)} + \mu(a) z(a) e^{m(a)} = \gamma Y(a) e^{m(a)}$$

Lo cual puede escribirse como

$$(z(a) e^{m(a)})^{(1)} = \gamma Y(a) e^{m(a)}$$

Luego integrando ambos miembros de 0 a a obtenemos

$$z(a') e^{m(a')} \Big|_0^a = \gamma \int_0^a Y(a') e^{m(a')} da$$

$$\Rightarrow z(a) e^{m(a)} - z(0) = \gamma \int_0^a Y(a') e^{m(a')} da$$

Por último tomando en cuenta que $Z(0) = 1$ y considerando conocida la función $Y(a)$ dada por (2.3), obtenemos la siguiente expresión para el número de individuos inmunes de edad a :

$$(2.4) \quad Z(a) = \gamma \ell(a) \int_0^a Y(a') e^{-\mu(a')} da'$$

Nota: la fórmula (2.4) es sencilla, pero no se encuentra publicada aún en la literatura.

Notemos que si sumamos las ecuaciones (i.2)-(iv.2) obtenemos

$$N^{(1)}(a) = -\mu(a) N(a)$$

$$\rightarrow N^{(1)}(a) / N(a) = -\mu(a)$$

Luego integrando ambos miembros de 0 a a obtenemos

$$\int_{N(0)}^{N(a)} \frac{dN}{N} = \int_0^a -\mu(a') da'$$

Consiguiendo con esto la siguiente expresión para el número total de individuos de la población que tienen edad a :

$$(2.5) \quad N(a) = N(0) \ell(a)$$

FUERZA DE LA INFECCION.

En esta sección se da la fuerza de la infección implícitamente en una ecuación integral y haciendo uso de hechos empíricos se simplifica dicha ecuación integral.

Sustituyendo la ecuación (2.3) en la ecuación (v.2) encontramos que $\lambda(a)$ está dada como la solución de la ecuación integral siguiente¹

$$(2.6) \quad \lambda(a) = \sigma \lambda(0) \int_0^{\infty} B(a, a') \lambda(a') e^{-\phi(a')} da'$$

En donde el núcleo $B(a, a')$ está dado por

$$(2.7) \quad B(a, a') = \int_t^{\infty} ds \int_{a'}^{\infty} dt \beta(a, s) e^{-\gamma(s-t) - \sigma(t-a') - m(s)}$$

Nótese que si se especificaran $\beta(a, a')$ y los parámetros $\mu(a)$ y $X(0)$ entonces la ecuación (2.6) se podría resolver para encontrar $\lambda(a)$ y luego la solución completa se seguiría de las ecuaciones (2.1)-(2.4).

Poró, se ha observado que para la enfermedad del sarampión la duración promedio de los periodos latente e infeccioso ($1/\sigma$ y $1/\gamma$ respectivamente) son de alrededor de una semana mientras que la edad promedio de la infección ($\bar{a} \approx 1/\lambda$) es de al menos unos años [2]. Por lo que

$$(2.8) \quad \sigma \cdot \gamma \gg \lambda$$

¹ LA SUSTITUCION DETALLADA SE ENCUENTRA EN EL APENDICE A.

Haciendo uso de (2.8) en las ecuaciones (2.1) a (2.5) obtenemos el resultado aproximado²

$$(2.9) \quad Y(a) \approx \lambda(a) X(a) / \gamma$$

Con la aproximación (2.7) la relación entre $\lambda(a)$ y $\beta(a, a')$ se simplifica de la ecuación (v.2) como se verá a continuación

$$\lambda(a) = \int_0^{\infty} \beta(a, a') Y(a') da'$$

Pero

$$Y(a') \approx \lambda(a') X(a') / \gamma$$

$$\Rightarrow \lambda(a) \approx \int_0^{\infty} \beta(a, a') \lambda(a') X(a') / \gamma da'$$

$$\Rightarrow \lambda(a) \approx \gamma^{-1} \int_0^{\infty} \beta(a, a') \lambda(a') [X(0) \ell(a') \exp^{-\phi(a')}] da'$$

Y por último llegamos a la expresión siguiente para la fuerza de la infección

$$(2.10) \quad \lambda(a) \approx \gamma^{-1} X(0) \int_0^{\infty} \beta(a, a') \lambda(a') \ell(a') \exp^{-\phi(a')} da'$$

Nótese que la expresión (2.10) es una ecuación integral más fácil de resolver que la ecuación (2.6). De modo que si se especificaran $\beta(a, a')$ y los parámetros $\mu(a)$ y $\lambda(0)$ entonces la ecuación (2.10) podría resolverse para encontrar $\lambda(a)$ y luego la solución completa se seguiría de las ecuaciones (2.1)-(2.4).

²LA SUSTITUCION DETALLADA SE ENCUENTRA EN EL APENDICE 0.

III GRUPOS DE EDAD. ALGUNAS CANTIDADES RELEVANTES.

En este capítulo se seguirá utilizando el modelo básico en el estado de equilibrio, i. e. el modelo dado por las ecuaciones (i.2) (iv.2) en donde $\lambda(a)$ está dada por (v.2). Se estudia la dinámica de la población por grupo de edad debido a que en la práctica el número de casos reportados de individuos infecciosos se registra por grupos de edad. Se llega paso a paso a una fórmula para calcular la edad promedio de la infección, \bar{a} , y para calcular la tasa reproductiva básica, R_0 , por grupo de edad.

NOTACION.

\bar{X}_i = número de individuos susceptibles en el grupo de edad i

\bar{H}_i = número de individuos latentes en grupo de edad i

\bar{Y}_i = número de individuos infecciosos en el grupo de edad i

\bar{Z}_i = número de individuos inmunes en el grupo de edad i

\bar{N}_i = número total de individuos en el grupo de edad i

N = número de individuos en toda la población

$\lambda_i = \lambda(i)$ es la fuerza de la infección en el grupo de edad i

$\beta_{i,j} = \beta(i,j)$ es un coeficiente de transmisión que mide los contactos entre individuos infecciosos del grupo de edad j e individuos susceptibles del grupo de edad i .

$$\beta_{i,j}^* = N \beta_{i,j} / \gamma_i$$

$$\Delta_i = a_i - a_{i-1}$$

$$\psi_i = \sum_{j=1}^i \lambda_j \Delta_j, \quad \psi_0 = 0$$

$$\Psi_i = \exp(-\psi_{i-1}) - \exp(-\psi_i)$$

$$\tilde{Y}_i = \sum_{j=1}^i \tilde{Y}_j$$

DINÁMICA DE LA POBLACIÓN POR GRUPO DE EDAD.

En esta sección se muestra como llegar paso a paso a formulas para el número de individuos de edad especifica que son susceptibles, latentes, infecciosos e inmunes.

Consideremos la siguiente partición del intervalo $(0,L]$

$$0 = a_0 < a_1 < a_2 < \dots < a_n = L$$

Definición III.1. Al conjunto de edades que cumplen con estar dentro del intervalo $(a_{i-1}, a_i]$ se le llamara "grupo de edad i".

i.e. "grupo de edad i" = $\left\{ a \in \mathbb{R} \mid a \in (a_{i-1}, a_i], \quad 0 \leq a_{i-1} < a_i \leq L \right\}$

Supongamos que

a) Los coeficientes de transmisión son constantes dentro y entre grupos de edad.

i. e. $\beta_{i,j} = \beta(i,j)$ es constante $\forall i,j = 1, \dots, n$

b) La función de sobrevivencia es de tipo I

i. e.
$$\ell(a) = \begin{cases} 1 & , a \leq L \\ 0 & , a > L \end{cases}$$

c) La fuerza de la infección es constante en cada grupo de edad

i. e. $\forall a \in (a_{i-1}, a_i] \quad \lambda(a) = \lambda_i$ constante $\forall i = 1, \dots, n$

y

d) La cantidad total de individuos en la población, N , es constante.

Del capítulo II sabemos que $N(a) = N(0) \ell(a)$ y como $\ell(a)$ es tipo I tenemos que

(3.1)
$$N(a) = \begin{cases} N(0), & a \leq L \\ 0, & a > L \end{cases}$$

Pero como $N(a) = X(a) + H(a) + Y(a) + Z(a)$, se sigue que no hay individuos de tipo alguno despues de la edad L i. e.

(3.2)
$$N(a) = X(a) = H(a) = Y(a) = Z(a) = 0 \quad \text{para } a > L$$

De la expresión (3.1) para $X(a)$ y tomando en cuenta que $\lambda(a)$ es de tipo I se tiene que

$$X(a) = X(0) e^{-\phi(a)} \quad \text{para } a \leq L$$

De modo que si $a \in (a_{j-1}, a_j]$ entonces

$$X(a) = X(0) \exp \left[- \sum_{j=1}^{i-1} \left(\int_{a_{j-1}}^{a_j} \lambda(a') da' \right) - \int_{a_{i-1}}^a \lambda(a') da' \right]$$

$$\rightarrow X(a) = X(0) \exp \left[- \left(\sum_{j=1}^{i-1} \lambda_j (a_j - a_{j-1}) \right) - \lambda_i (a - a_{i-1}) \right]$$

Y de lo anterior obtenemos una expresión para el número de individuos susceptibles de edad específica en el "grupo de edad i" que es

$$(3.3) \quad X(a) = X(0) \exp \left(- \psi_{i-1} - \lambda_i (a - a_{i-1}) \right)$$

Ahora el número de individuos susceptibles en el "grupo de edad i" lo obtenemos como sigue

$$\bar{X}_i = \int_{a_{j-1}}^{a_i} X(a') da'$$

$$\bar{X}_i = \int_{a_{i-1}}^{a_i} \lambda(a') \exp[-\psi_{i-1} - \lambda_i (a' - a_{i-1})] da'$$

$$\bar{X}_i = X(0) \exp[-\psi_{i-1} - \lambda_i (a' - a_{i-1})] / \lambda_i \Big|_{a_{i-1}}^{a_i}$$

Y en consecuencia el número de individuos susceptibles en el "grupo de edad i" es

$$(3.4) \quad \bar{X}_i = X(0) \Psi_i / \lambda_i$$

De la expresión (3.2) del número de individuos latentes de edad específica, $H(a)$, y tomando en cuenta que $\lambda(a)$ es de tipo I se tiene que

$$H(a) = X(0) \int_0^a \lambda(a') \exp[-\sigma(a - a') - \phi(a')] da'$$

De modo que si $a \in (a_{i-1}, a_i]$ entonces

$$H(a) = X(0) \left\{ \left[\sum_{j=1}^{i-1} \int_{a_{j-1}}^{a_j} \lambda(a') \exp[-\sigma(a - a') - \phi(a')] da' \right] + \int_{a_{i-1}}^a \lambda(a') \exp[-\sigma(a - a') - \phi(a')] da' \right\}$$

Y de la expresión anterior se tiene que el número de individuos latentes de edad específica en el "grupo de edad i" está dado por

$$(3.5) \quad H(a) = X(0) \left\{ \left[\sum_{j=1}^{i-1} \lambda_j \int_{a_{j-1}}^{a_j} \exp[-\sigma(a - a') - \lambda_j a'] da' \right] + \int_{a_{i-1}}^{a_i} \lambda_i \exp[-\sigma(a - a') - \lambda_i a'] da' \right\}$$

Ahora el número de individuos latentes en el "grupo de edad i" se obtiene como sigue

$$\bar{H}_i = \int_{a_{i-1}}^{a_i} H(a') da'$$

Y en consecuencia el número de individuos latentes en el "grupo de edad i" es

$$(3.6) \quad \bar{H}_i = X(0) \left\{ \left[\sum_{j=1}^{i-1} \lambda_j \int_{a_{i-1}}^{a_i} \int_{a_{j-1}}^{a_j} \exp[-\sigma(a - a') - \lambda_j a'] da' da \right] + \lambda_i \int_{a_{i-1}}^{a_i} \int_{a_{i-1}}^a \exp[-\sigma(a - a') - \lambda_i a'] da' da \right\}$$

Recordando que $Y(a) \approx \lambda(a) X(a) / \gamma$

Si $a \in (a_{i-1}, a_i]$ y se utiliza la expresión (3.5) llegamos a que el número de individuos infecciosos de edad específica en el "grupo de edad i" está dado por

$$(3.7) \quad Y(a) \approx \lambda_1 \gamma^{-1} X(a) \exp \left(-\psi_{i-1} - \lambda_1 (a - a_{i-1}) \right)$$

Ahora el número de individuos infecciosos en el "grupo de edad i" se obtiene como sigue

$$\bar{Y}_i = \int_{a_{i-1}}^{a_i} Y(a') da' \approx (\lambda_1 / \gamma) \int_{a_{i-1}}^{a_i} X(a') da'$$

En consecuencia el número de individuos infecciosos en el "grupo de edad i" es

$$(3.8) \quad \bar{Y}_i \approx \lambda_1 \bar{X}_i / \gamma$$

Observemos que con la expresión (2.4) del número de individuos inmunes de edad específica, $Z(a)$, y tomando en cuenta que $Z(a)$ es de tipo I se tiene que

$$Z(a) = \gamma \int_0^a Y(a') da'$$

De modo que si $a \in (a_{i-1}, a_i]$ entonces

$$Z(a) = \gamma \left\{ \left(\sum_{j=1}^{i-1} \int_{a_{j-1}}^{a_j} Y(a') da' \right) + \int_{a_{i-1}}^a Y(a') da' \right\}$$

Lo anterior puede escribirse como sigue

$$Z(a) = \gamma \left\{ \sum_{j=1}^{i-1} \tilde{Y}_j + \int_{a_{i-1}}^a Y(a') da' \right\}$$

Pero

$$\begin{aligned} \int_{a_{i-1}}^a Y(a') da' &\approx \lambda_i X(0) \exp(-\psi_{i-1}) \gamma^{-1} \int_{a_{i-1}}^a \exp[-\lambda_i (a' - a_{i-1})] da' \\ &\approx X(0) \exp(-\psi_{i-1}) \gamma^{-1} \left[1 - \exp[-\lambda_i (a - a_{i-1})] \right] \end{aligned}$$

Por lo tanto el número de individuos inmunes de edad específica en el "grupo de edad i " está dado por

$$(3.9) \quad Z(a) \approx \gamma \tilde{Y}_{i-1} + X(0) \exp(-\psi_{i-1}) \left[1 - \exp[-\lambda_i (a - a_{i-1})] \right]$$

Y el número de inmunes en el "grupo de edad i " lo obtenemos como sigue

$$\tilde{Z}_i = \int_{a_{i-1}}^{a_i} Z(a') da'$$

De lo anterior se sigue que

$$\bar{Z}_1 \approx \gamma \bar{Y}_{i-1} \int_{a_{i-1}}^{a_i} da + \chi(0) \exp(-\psi_{i-1}) \int_{a_{i-1}}^{a_i} \left[1 - \exp[-\lambda_1(a - a_{i-1})] \right] da$$

Pero

$$\int_{a_{i-1}}^{a_i} \left[1 - \exp[-\lambda_1(a - a_{i-1})] \right] da = \Delta_i + [\exp(-\lambda_1 \Delta_i) - 1] / \lambda_1$$

Por lo tanto el número de individuos inmunes en el "grupo de edad i" es

$$(3.10) \quad \bar{Z}_1 \approx \gamma \bar{Y}_{i-1} \Delta_i + \chi(0) \exp(-\psi_{i-1}) \left[\Delta_i + [\exp(-\lambda_1 \Delta_i) - 1] / \lambda_1 \right]$$

FUERZA DE LA INFECCION

En esta sección se muestra como llegar paso a paso a formulas para la fuerza de la infección.

La fuerza de la infección esta dada por

$$\lambda(a) = \int_0^{\infty} \beta(a, a') Y(a') da'$$

Pero esta fórmula se puede expresar como sigue

$$\lambda(a) = \int_0^L \beta(a, a') Y(a') da' + \int_L^{\infty} \beta(a, a') Y(a') da$$

$$\rightarrow \lambda(a) = \sum_{j=1}^n \left(\int_{a_{j-1}}^{a_j} \beta(a, a') Y(a') da' \right) \quad \text{(véase (3.2))}$$

Y como los coeficientes de transmisión son constantes dentro y entre grupos de edad y la fuerza de la infección también es constante dentro de cada grupo de edad, entonces

$$\lambda(i) = \sum_{j=1}^n \left(\int_{a_{j-1}}^{a_j} \beta(i, a') Y(a') da' \right) \quad \forall i = 1, \dots, n$$

$$\rightarrow \lambda_i = \sum_{j=1}^n \left(\beta(i, j) \int_{a_{j-1}}^{a_j} Y(a') da' \right) \quad \forall i = 1, \dots, n$$

Y en consecuencia se tiene que

$$(3.11) \quad \lambda_i = \sum_{j=1}^n \beta_{i,j} \bar{Y}_j \quad \forall i = 1, \dots, n$$

o en notación matricial (3.11) se ve como

$$(\lambda_1, \dots, \lambda_n)^T = H (\bar{Y}_1, \dots, \bar{Y}_n)^T$$

En donde H es la matriz $H = (\beta_{i,j})_{n \times n}$ y la llamaremos matriz "QAIDQ" ("Quien Adquiere Infección de Quien")

Pero por otro lado observese que sustituyendo (3.8) en (3.11) se tiene que

$$\lambda_i \approx \sum_{j=1}^n \beta_{i,j} \lambda_j \bar{X}_j / \gamma \quad \forall i = 1, \dots, n$$

Y luego utilizando (3.4) obtenemos

$$\lambda_j \cong \sum_{i=1}^n \beta_{i,j} \lambda_i \gamma^{-1} \left\{ X(0) \Psi_j / \lambda_j \right\} \quad \forall i = 1, \dots, n$$

Pero $X(0) = N(0) = N / L$, por lo que

$$\lambda_i \cong \sum_{j=1}^n \left\{ N \beta_{i,j} / \gamma L \right\} \Psi_j \quad \forall i = 1, \dots, n$$

De modo que si $H^* = \left\{ N \beta_{i,j} / \gamma L \right\}_{n \times n} = \left\{ \beta_{i,j}^* \right\}_{n \times n}$

Entonces lo anterior puede escribirse en notación matricial como sigue

$$(3.12) \quad (\lambda_1, \lambda_2, \dots, \lambda_n)^T \cong H^* (\Psi_1, \Psi_2, \Psi_3, \dots, \Psi_n)^T$$

Para poder conocer las fuerzas de infección con las formulas (3.11) o (3.12) necesitamos conocer todos los coeficientes de transmisión, $\beta_{i,j}$, pero de hecho hay muchos problemas para conocer los $\beta_{i,j}$ y lo más que se ha hecho es asignar valores a estos coeficientes de acuerdo a la experiencia.

ALGUNOS CÁLCULOS RELEVANTES.

En esta sección se llega paso a paso a fórmulas para dos cantidades relevantes que son: la edad promedio de la infección, \bar{a} , y la tasa reproductiva básica de grupo de edad específico, R_{0j} .

La edad promedio de la infección está dada por

$$(3.13) \quad \bar{a} = \frac{\int_0^{\infty} \lambda(a) a x(a) da}{\int_0^{\infty} \lambda(a) x(a) da}$$

Pero la proporción de individuos susceptibles de edad a está dada por $x(a) = X(a) / N(a)$

De modo que

$$(3.14) \quad x(a) = \begin{cases} \exp[-\psi_{i-1} - \lambda_i (a - a_{i-1})] & , a \in (a_{i-1}, a_i] \\ 0 & , a > L \end{cases}$$

Por lo tanto, \bar{a} puede expresarse como sigue

$$\bar{a} = \frac{\int_0^L \lambda(a) a x(a) da}{\int_0^L \lambda(a) x(a) da}$$

Y esto puede verse como

$$(3.15) \quad \bar{a} = \frac{\sum_{i=1}^n \int_{a_{i-1}}^{a_i} \lambda_i a x(a) da}{\sum_{i=1}^n \int_{a_{i-1}}^{a_i} \lambda_i x(a) da}$$

Observemos que

$$(3.16) \quad \int_{a_{i-1}}^{a_i} \lambda_i a x(a) da = \int_{a_{i-1}}^{a_i} \lambda_i a \exp[-\psi_{i-1} - \lambda_i (a - a_{i-1})] da \\ = \left[(1 + \lambda_i a_{i-1}) \exp(-\psi_{i-1}) - (1 + \lambda_i a_i) \exp(-\psi_i) \right] / \lambda_i$$

Además tenemos que

$$(3.17) \quad \int_{a_{i-1}}^{a_i} \lambda_i x(a) da = \int_{a_{i-1}}^{a_i} \lambda_i \exp[-\psi_{i-1} - \lambda_i (a - a_{i-1})] da \\ = \exp(-\psi_{i-1}) - \exp(-\psi_i) \\ = \Psi_i$$

Pero

$$(3.18) \quad \sum_{j=1}^n \Psi_j = 1 - \exp(-\psi_n)$$

Finalmente sustituyendo (3.16) y (3.18) en (3.15) obtenemos una fórmula para la edad promedio de la infección que es

$$A = \sum_{i=1}^n \left[(1 + \lambda_i a_{i-1}) \exp(-\psi_{i-1}) - (1 + \lambda_i a_i) \exp(-\psi_i) \right] / \left[\lambda_i (1 - \exp(-\psi_n)) \right]$$

Esta última expresión es la expresión (3.19).

Definición III.2. La tasa reproductiva básica, R_{0j} , es el promedio de casos secundarios (en todos los grupos de edad) generados por un caso primario en el grupo de edad j durante el periodo de la infecciosidad del caso primario (γ^{-1}), y está dada por

$$(3.20) \quad R_{0j} = \gamma^{-1} \int_0^L \beta(a, j) N(a) da$$

Pero $N(a) = N(0) = N/L$ es constante para $a \leq L$ y el coeficiente de transmisión es constante dentro y entre grupos de edad. De modo que

$$\begin{aligned} R_{0j} &= N (L \gamma)^{-1} \int_0^L \beta(a, j) da \\ \Rightarrow R_{0j} &= N (L \gamma)^{-1} \sum_{i=1}^n \left[\beta(i, j) \int_{a_{i-1}}^{a_i} da \right] \\ \Rightarrow R_{0j} &= \sum_{i=1}^n \left[N (L \gamma)^{-1} \beta_{i, j} \right] \Delta_i \end{aligned}$$

Esto último puede escribirse en notación matricial como sigue

$$(3.21) \quad (R_{01}, R_{02}, \dots, R_{0n})^T = (N^*)^T (\Delta_1, \Delta_2, \dots, \Delta_n)^T$$

En donde
$$N^* = \left[N \beta_{i, j} / \gamma L \right]_{n \times n} = \left[\beta_{i, j}^* \right]_{n \times n}$$

IV CALCULO DE LA FUERZA DE LA INFECCION Y DE LA EDAD PROMEDIO DE LA INFECCION.

En este capítulo se utilizarán algunos resultados del capítulo III para poder estimar la fuerza de la infección en cada grupo de edad. Esto servirá para encontrar una expresión lineal para $\lambda(a)$ empleando para esto el método de los mínimos cuadrados y esta expresión de $\lambda(a)$ servirá para calcular la edad promedio de la infección.

En todo este capítulo será de utilidad la siguiente

NOTACION

$x(a)$ = proporción de individuos susceptibles de edad a .

$q(a)$ = proporción de individuos seropositivos de edad a .

λ_i = fuerza de la infección en el grupo de edad i .

x_i = proporción de individuos susceptibles en el grupo de edad i

$x_0 \equiv 1$

$\Delta_i = a_i - a_{i-1}$

$$\psi_i = \sum_{j=1}^i \lambda_j \Delta_j, \quad \psi_0 \equiv 0$$

\hat{Y}_j = número de casos reportados en el grupo de edad j

$\sum_i \hat{Y}_j$ = número de casos reportados en toda la población

q_i = proporción de individuos seropositivos en el grupo de edad i

D = duración promedio de la protección contra la infección
provista por anticuerpos maternos

L = esperanza de vida humana

ESTIMACION DE LA FUERZA DE LA INFECCION.

En esta sección se muestra como llegar paso a paso a una fórmula para la fuerza de la infección, λ , para cada grupo de edad.

Se supondrá que:

- a) Todos los individuos adquieren la enfermedad alguna vez en su vida. i. e. $N(0) = Z(L)$
- b) Que la notificación de casos de sarampión se registra en grupos de edad "pequeños" e iguales.

Recuérdese que la proporción de individuos susceptibles de edad a está dada por (3.14) y es

$$x(a) = \begin{cases} \exp \left[-\psi_{i-1} - \lambda_i (a - a_{i-1}) \right], & a \in (a_{i-1}, a_i] \\ 0, & a > L. \end{cases}$$

O lo que es lo mismo

$$(4.1) \quad x(a) = \exp \left(- \int_0^a \lambda(s) ds \right) \quad \text{para } a \leq L.$$

De (3.14) se sigue que

$$(4.2) \quad \ln x(a) = -\psi_{i-1} - \lambda_i (a - a_{i-1}) \quad \text{para } a \in (a_{i-1}, a_i]$$

Observemos que

$$(4.3) \quad \ln x(a_{i-1}) \simeq - \int_0^{a_{i-1} + \epsilon} \lambda(s) ds$$

donde ϵ es "pequeña"

$$(4.4) \quad \ln x(a_i) = - \int_0^{a_i} \lambda(s) ds$$

Restando (4.4) a (4.3) obtenemos

$$\ln x(a_{i-1}) - \ln x(a_i) \simeq \lambda_i (\Delta_i - \epsilon)$$

De donde

$$(4.5) \quad \lambda_i \approx \left\{ - \ln \frac{x(a_i)}{x(a_{i-1})} \right\} / \Delta_i$$

Pero como los Δ_i son pequeños y de longitud igual para toda $i = 1, \dots, n$ se sigue de (4.5) que la fuerza de la infección es aproximadamente como sigue

$$(4.6) \quad \lambda_i \approx \left\{ - \ln \frac{x_i}{x_{i-1}} \right\} / \Delta_i$$

Del modelo matemático y recordando que la tasa neta de mortalidad, μ , es de tipo I obtenemos lo siguiente

$$(4.7) \quad H(a) + Y(a) + Z(a) = \int_0^a \lambda(s) X(s) ds$$

$$(4.8) \quad Z(a) = \gamma \int_0^a Y(s) ds$$

Además como

$$Y(a) \approx \lambda(a) X(a) / \gamma$$

Entonces

$$(4.9) \quad H(a) + Y(a) + Z(a) \approx \gamma \int_0^a \lambda(s) X(s) ds$$

Por lo que la proporción de individuos susceptibles de edad a es aproximadamente

$$(4.10) \quad x(a) \approx 1 - \frac{Z(a)}{H(0)}$$

De modo que podemos aproximar la proporción de individuos susceptibles en "el grupo de edad i " como sigue

$$(4.11) \quad x_i \approx 1 - \frac{Z(a_i^*)}{N(0)} \quad \text{donde } a_i^* = (a_{i-1} + a_i) / 2$$

Y como estamos suponiendo que todo individuo adquiere la infección en alguna edad de su vida, tenemos que

$$(4.12) \quad N(0) = Z(L) = \gamma \int_0^L Y(s) ds$$

Por último sustituyendo (4.12) en (4.11) obtenemos una aproximación para la proporción de individuos susceptibles en el "grupo de edad i "

$$(4.13) \quad x_i = \left\{ 1 - \frac{\int_0^{a_i^*} Y(s) ds}{\int_0^L Y(s) ds} \right\} \approx \left\{ 1 - \frac{\sum_{j=1}^i \hat{Y}_j}{\sum_{j=1}^L \hat{Y}_j} \right\}$$

Si definimos a un individuo seropositivo como aquel que ha contraído la enfermedad al menos una vez en su vida.

Entonces la proporción seropositiva en el grupo de edad i , q_i , está dada por el cociente de la suma del número de casos reportados en los grupos de edad desde el 1 hasta el i , entre el número de casos reportados en toda la población:

i. e.

$$(4.14) \quad q_i = \frac{\sum_{j=1}^i Y_j}{\sum_j Y_j}$$

Ahora ya podemos conocer la fuerza de la infección en cada grupo de edad como sigue:

- 1) Calcular $\sum_{j=1}^i Y_j$ $\forall i=1, \dots, n$ y $\sum_j Y_j$
- 2) Calcular q_i usando la igualdad (4.13) (13)
- 3) Calcular λ_i usando la igualdad (4.5)

Observemos que lo único que necesitamos conocer para calcular la fuerza de la infección en todos grupos de edad es el número de casos registrados en cada grupo de edad y el número de casos registrados en toda la población.

EXPRESION LINEAL DE LA FUERZA DE LA INFECCION.

Tomando en cuenta que en un análisis de la distribución de edades de la infección del sarampión en Inglaterra y Gales, Griffiths noto que la fuerza de la infección aumento linealmente con la edad entre los cero y los quince años de edad y que más del 95% de los casos ocurrieron en este rango de edad. La idea ahora es averiguar si hay una relación lineal entre la edad y la fuerza de la infección según distribuciones de casos por edad de la infección del sarampión en México. Para averiguar esto se hizo una regresión lineal utilizando el método de los mínimos cuadrados con las parejas $((a_0 + a_1)/2, \lambda_1), \dots, ((a_{l-1} + a_l)/2, \lambda_l)$ desde que $l=3$ hasta que la regresión fuera buena, si es que esto ocurría.

Afortunadamente en todos los años estudiados se obtuvieron regresiones lineales buenas para $l=4$.³

Por lo expuesto anteriormente, podemos poner

$$(4.15) \quad \lambda(a) = m + v a \quad \text{para} \quad 0 \leq a \leq a_l$$

En donde m y v son los parámetros calculados en la regresión.

³Ver las corridas del programa al final del capítulo y notar que el coeficiente de correlación de Pearson más pequeño en valor absoluto es igual a 0.78

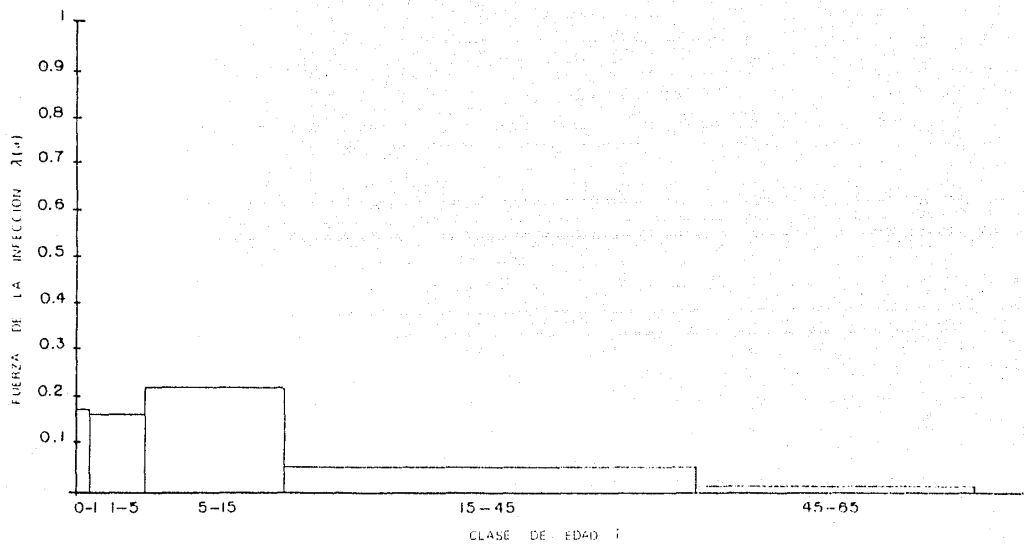


FIG. IV. 1 FUERZA DE LA INFECCION EN FUNCION DE LA EDAD. MEXICO 1981.

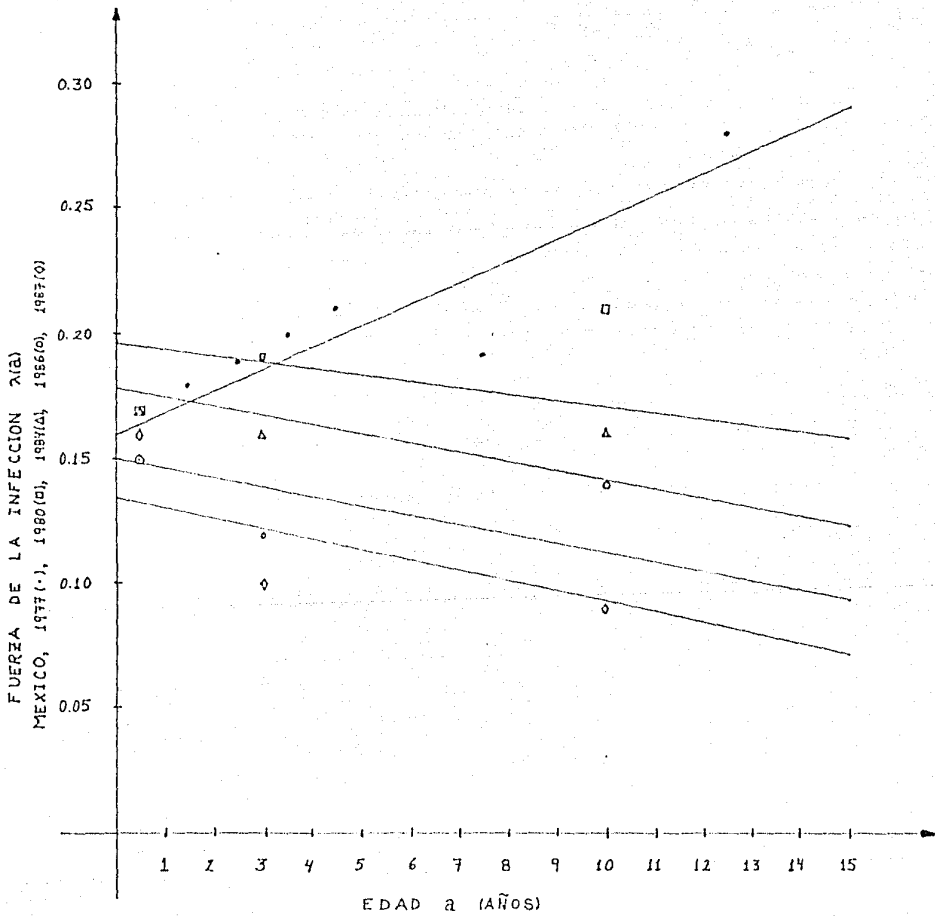


FIG. IV.2 FUERZA DE LA INFECCION EN FUNCION DE LA EDAD. MEXICO 1977, 1980, 1984, 1985, 1987.

Para tomando en cuenta la protección contra la infección provista por anticuerpos maternos, D , una mejor aproximación para λ es

$$(4.16) \quad \lambda(a) = \begin{cases} 0 & , a \leq D \\ m + va & , a > D \end{cases} \quad (4.16)$$

Con la fórmula (4.6) y utilizando el programa de computadora se pudo graficar la fuerza de la infección vs la edad F165. (IV.1) y (IV.2). En las graficas puede verse que la fuerza de la infección ha disminuido con el paso de los años pero que siempre hay una buena relación lineal entre la fuerza de la infección y la edad .

LA PROPORCIÓN DE INDIVIDUOS SEROPOSITIVOS DE EDAD a .

Recordemos que la proporción de individuos susceptibles de edad a está dada por

$$(4.1) \quad x(a) = \exp\left(-\int_0^a \lambda(s) ds\right) \quad \text{para } a \leq L$$

Y si sustituimos (4.16) en (4.1) obtenemos

$$(4.17) \quad x(a) = \begin{cases} 1 & , a \leq D \\ \exp\left[D(m + vD/2) - a(m + va/2)\right] & , D < a < a_d \end{cases}$$

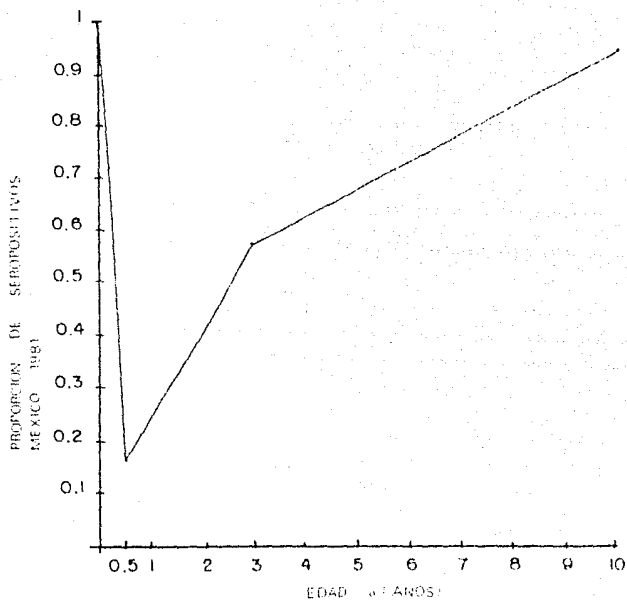


FIG. IV3 PERFIL SEROLÓGICO (TOMANDO EN CUENTA LA PROTECCIÓN CONTRA LA INFECCIÓN PRODUSTA POR ANTICUERPOS MATERNOSES), MÉXICO 1981.

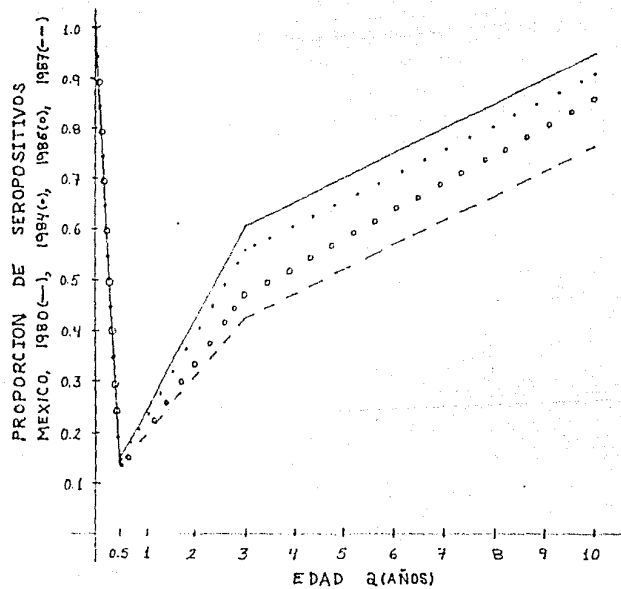


FIG. IV.4 VARIOS PERFILES SEROLOGICOS TOMANDO EN CUENTA LA PROTECCION CONTRA LA INFECCION PROVISTA POR ANTICUERPOS MATERNOs. MEXICO 1980, 1984, 1985, 1987.

Usando (4.13) podemos conocer aproximadamente la proporción de individuos seropositivos de edad específica por medio de la siguiente función

$$(4.18) \quad q(a) = \begin{cases} 0 & , a \leq D \\ 1 - \exp \left[D(m + \sqrt{D}/2) - a(m + \sqrt{a}/2) \right] & , D < a < \infty \end{cases}$$

Utilizando la fórmula (4.14) para q_i y el programa de computadora pudo graficarse la proporción de individuos seropositivos en 1981 FIG. (IV.3) y en varios años FIG. (IV.4).

ESTIMACION DE LA EDAD PROMEDIO DE LA INFECCION.

Recordemos que la edad promedio de la infección está dada por (3.13), pero como después de la edad L no hay individuos de tipo alguno tenemos que

$$\bar{a} = \frac{\int_0^L a \lambda(a) x(a) da}{\int_0^L \lambda(a) x(a) da}$$

Observemos que

$$(4.19) \quad \int \lambda(a) x(a) da = - \exp \left(- \int_0^a \lambda(s) ds \right) = - \frac{x(a)}{N(a)}$$

Integrando por partes el numerador de A tenemos que

$$(4.20) \quad \int_0^L a \lambda(a) x(a) da = - \frac{a \lambda(a)}{H(a)} \Big|_0^L + \int_0^L \frac{\lambda(a)}{H(a)} da$$

Y haciendo la integral que esta en el denominador de A obtenemos

$$(4.21) \quad \int_0^L \lambda(a) x(a) da = - \frac{X(a)}{H(a)} \Big|_0^L$$

Por último tomando en cuenta que $X(L) = 0$ y que $X(0) = 0$ y sustituyendo (4.20) y (4.21) en A obtenemos que

$$(4.22) \quad A = \int_0^L x(a) da$$

Pero considerando que en los años de estudio ocurrieron en promedio el 90.95 % de los casos entre los cero y los quince años [ver la tabla A al final del capítulo] llegamos a que

$$(4.23) \quad A \approx \int_0^b 1 da + \int_b^{15} \exp \left(D(m + vD/2) - a(m + va/2) \right) da$$

Y de aquí se sigue que⁴

$$(4.24) \quad A \approx D + \exp \left(D(m + vD/2) \right) \int_b^{15} \exp \left(-a(m + va/2) \right) da$$

⁴La integral que aparece en (4.24) puede calcularse numericamente utilizando la regla de Simpson y de hecho así es como lo hace el programa que calcula A y cuyas corridas estan al final del capítulo

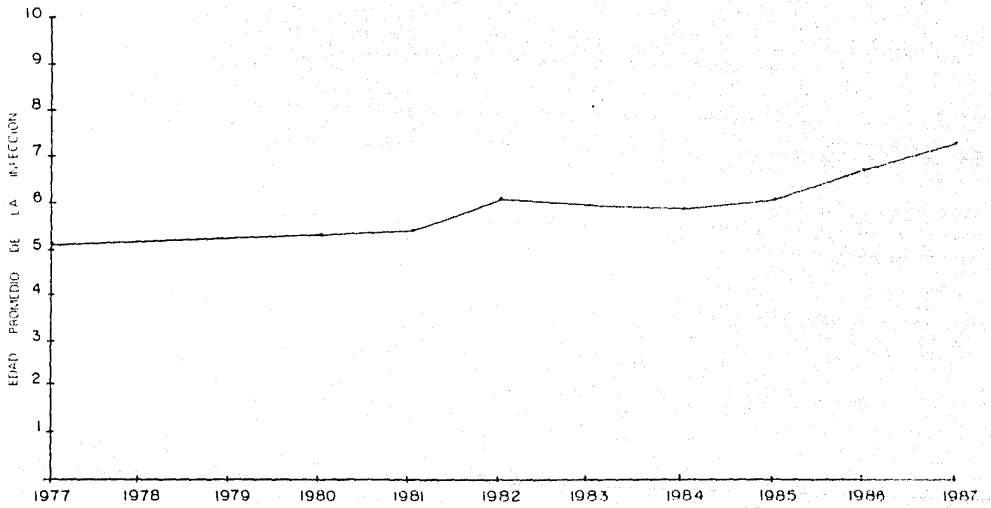


FIG. (IV.5) EDAD PROMEDIO DE LA INFECCION VS TIEMPO.

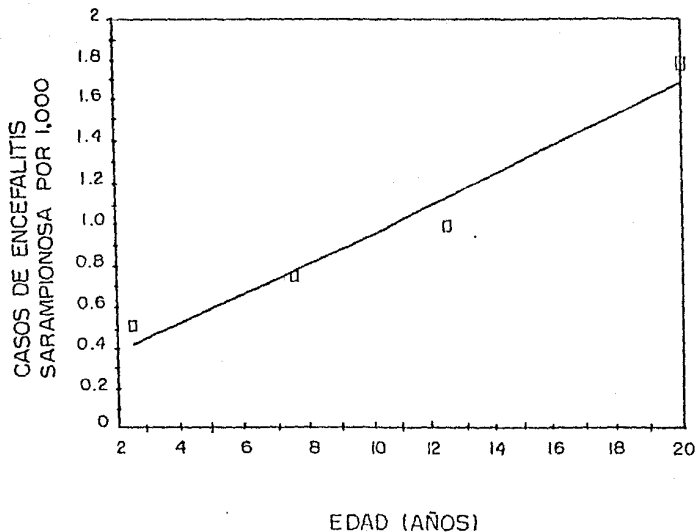


FIG. IV.6 INCIDENCIA DE CASOS NOTIFICADOS DE ENCEFALITIS SARAMPIONOSA POR CADA MIL CASOS DE SARAMPION EN FUNCION DE LA EDAD (TOMADO DE CENTERS FOR DISEASE CONTROL, WASHINGTON, 1981)

En la figura (IV.5) se ha graficado Edad Promedio de la Infección vs Tiempo (años). Observemos que conforme el tiempo pasa la Edad Promedio de la Infección tiende a aumentar. Esto es importante pues por un lado las campañas de vacunación en México han contribuido a que cada vez menos niños adquieren la infección pero por otro lado los que la adquieren son de mayor edad. Sin embargo observaciones empíricas sugieren que el riesgo de que se complique seriamente la enfermedad del sarampión puede aumentar con la edad. Por ejemplo en la FIG. (IV.6) se ilustra el hecho de que la incidencia de encefalitis como complicación del sarampión aumenta linealmente con la edad.

EDAD OPTIMA A LA CUAL VACUNAR CONTRA EL SARAMPION.

En los países en desarrollo en particular en México hay altas tasas de transmisión del sarampión, las cuales son consecuencia de factores demográficos y conductuales. Dichas tasas de transmisión se combinan con la protección contra la infección provista por anticuerpos maternos para producir cohortes traslapadas i. e. una proporción significativa de una cohorte habra tenido sarampión a una edad en la que la protección provista por la madre ha desaparecido para casi todos los niños. Esto trae como consecuencia que no se tiene la certeza sobre la mejor edad a la cual vacunar contra el sarampión ([3]).

Lo anterior conduce a que no hay una sola edad a la cual vacunar contra el sarampión, sino más bien que hay un rango de edad en cual se debe vacunar ([3]).

Para decidir cual es la mejor edad en la cual vacunar contra el sarampión se tomó en cuenta que

a) Que la protección contra la infección provista por anticuerpos maternos dura aproximadamente 8 meses y que dicha protección la van perdiendo los niños conforme crecen lo cual trae como consecuencia las cohortes traslapadas. Además la vacuna no debe aplicarse a una edad en la que los niños aun no han perdido la protección contra la infección provista por anticuerpos maternos ya que dichos anticuerpos maternos inhiben a los anticuerpos de la vacuna.

b) Que para los años de estudio se encontró que en promedio la probabilidad de ser un individuo seropositivo entre el año y los cinco años fue de 37.7 % y que la probabilidad de ser un individuo seropositivo entre el año y los quince años fue de 75.96 %

(tabla A)

Por lo anterior el rango de edad en el que se debio de vacunar contra el sarampión fue el comprendido entre el medio año y el año de edad.

RUTINIZACION DE ALGUNAS CANTIDADES RELEVANTES.

El programa cuyo listado y corridas se presentan al final del capítulo fue elaborado por el autor usando el lenguaje de computadora Turbo Pascal version 3.0 y tiene como entrada y salida lo siguiente

ENTRADA

- Todos los puntos extremos de los grupos de edad.
- El número de casos reportados en cada grupo de edad y el número de casos reportados en que no se especifica el grupo de edad en el que ocurrieron.

SALIDA

El programa calcula varias cosas importantes pero las más sobresalientes son:

- La fuerza de la infección en cada grupo de edad utilizando la fórmula (4.6)
- La proporción de individuos seropositivos en cada grupo de edad
- La probabilidad de ser un individuo seropositivo en cada grupo de edad
- Los parámetros m y v de la regresión tales que $\lambda(a) = m + va$ y el coeficiente de correlación de Pearson para saber que tan buena fue la regresión.
- La edad promedio de la infección, A , usando la fórmula (4.20).

LISTADO DEL PROGRAMA SAMPION.1ES.

```
PROGRAM SAMPION;
LABEL REGRESA;
CONST BLOC=' ':1;
      BCO =' ':1;
      LIMSUP=15;
```

(PROGRAMADOR: JUAN F. HERNANDEZ CRUZ)

```
TYPE DISCRETO1 =ARRAY10..101 OF REAL;
      DISCRETO2 =ARRAY10..101 OF INTEGER;
```

```
VAR Y,X,LAMBDA,
    FM,REGRESA,
    SPARCIAL,DELTA :DISCRETO1;
    PUNTO :DISCRETO2;
    STOTAL,A,
    D,m,v,r :REAL;
    I,J,L,N :INTEGER;
    CAR :CHAR;
    TER :??,07;
```

```
PROCEDURE ESPACIO; BEGIN WRITELN; WRITELN END;
```

```
PROCEDURE DATOS(VAR N:INTEGER; VAR D:REAL; VAR PUNTO:DISCRETO2);
```

```
  BEGIN
```

```
    CLRSCR;
```

```
    WRITELN('HOLA! BUEN DIA! ');
```

```
    ESPACIO;
```

```
    WRITE('INTRODUZCA EL NUMERO DE GRUPOS DE EDAD ');READLN(N);
```

```
    WRITELN;
```

```
    WRITE('INTRODUZCA LA DURACION PROMEDIO DE LOS ANTICUERPOS MATERNO ');
```

```
    READLN(D);
```

```
    ESPACIO;
```

```
    WRITELN('INTRODUZCA LA PARTICION DEL INTERVALO (0,1)');
```

```
    WRITELN;
```

```
    FOR I:=0 TO N DO
```

```
      BEGIN
```

```
        WRITE('a',I,' = ');READLN(PUNTO [I]);
```

```
      END;
```

```
    ESPACIO
```

```
  END;
```

```

PROCEDURE ERRE (LAMBDA,PM:DISCRETOS;VAR P,m,v:REAL;VAR L:INTEGER);
VAR LDABARRA,PMBARRA,PMDOS,LDADOS:REAL;
    J:INTEGER;

```

```

BEGIN ( ERRE );
WRITE(OLDO,'# GRUPOS DE EDAD QUE SE CONSIDERAN EN LA REGRESION = ');
READLN(L);
LDABARRA:=0;PMBARRA:=0;
FOR J:=1 TO L DO
    BEGIN
        LDABARRA:=LDABARRA+LAMBDA(J);
        PMBARRA:=PMBARRA+PM(J);
    END;
LDABARRA:=LDABARRA/L; PMBARRA:=PMBARRA/L;
PMDOS:=0; LDADOS:=0;
FOR J:=1 TO L DO
    BEGIN
        PMDOS:=PMDOS+SOR(PM(J)-PMBARRA);
        LDADOS:=LDADOS+SOR(LAMBDA(J)-LDABARRA);
    END;
V:=0;
FOR J:=1 TO L DO V:=V+PM(J)*(LAMBDA(J)-LDABARRA);
R:=V/SQR(PMDOS*LDADOS);
V:=V/PMDOS;
M:=LDABARRA-V*PMBARRA;
END; ( ERRE );

```

```

BEGIN ( MAIN PROGRAM );
DATOS(N,D,PUNTO);
WRITE(' INTRODUCCA EL NUERO DE CASOS REPORTADOS ');
WRITELN('SEGUN EL GRUPO DE EDAD');
WRITELN;
FOR I:=1 TO N DO
    BEGIN
        SPARCIAL(I):=0;
        WRITE('Y',I,' = ');READLN(Y(I));
        END;
WRITE('PARA Y',N+1,' DAR LOS CASOS DE ',PUNTO(I));
WRITELN(' Y MAS AÑOS O.K. ');
WRITE('Y',N+1,' = ');READLN(Y(N+1));
WRITELN('PARA Y',N+2,' DAR LOS CASOS NO ESPECIFICADOS O.K. ');
WRITE('Y',N+2,' = ');READLN(Y(N+2));
WRITELN('PRESIONE <RETURN> PARA CONTINUAR O.K. ');READ;
CLRSR;
STOTAL:=0;
FOR J:=1 TO N+2 DO
    BEGIN
        STOTAL:=STOTAL+Y(J);
    END;
FOR I:=1 TO N DO
    BEGIN
        FOR J:=1 TO I DO
            SPARCIAL(I):=SPARCIAL(I)+Y(J);
        X(I):=1-SPARCIAL(I)/STOTAL;
        DELTA(I):=PUNTO(I)-PUNTO(I-1);
        PRSEROP(I):=Y(I)/STOTAL;
        END;
X(0):=1;

```

```

FOR J:=1 TO H DO
  BEGIN
    LAMBDA(J):= LN((1-I)/X(J)/DELTA(J));
    PM(J):= (PUNTO(I-1)+PUNTO(I))/2;
  END;
CLRSCL:
WRITE('  GRFO ETARIO',BLOC,'# DE CASOS',BLOC,' SUSCEPT. %',BLOC);
WRITELN('  LAMBDA ',BLOC;2,' SEPTIVOS %',BLOC;2,' PR(SEPTIVO) ');
FOR I:=1 TO H DO
  BEGIN
    WRITE(BLOC,PUNTO(I-1);2,' - ',PUNTO(I);2,BLOC);
    WRITE('Y(I):10:1,BCC,BLOC,MLD'+10*10;5;2,BCC,LAMBDA(I);6;4);
    WRITELN(BLOC;2,'(1-X(I))+10*10;5;2,BCC,BLOC,PRSEPTO(I);6;4);
    WRITELN
  END;
WRITELN(BLOC,PUNTO(H),' Y MAS',BLOC,' ',YIN(H);8;1);WRITELN;
WRITELN(BLOC,'S/ESPEC ',BLOC,YIN(2);8;1); WRITELN;
WRITELN(BLOC,'TOTAL ',BLOC,STOTAL;8;1);
WRITE('PRESIONE <RETURN> PARA CONTINUAR O.E. ');READ:PELLINE;
WRITELN;
REGRESA:
ERRE_F(LAMBDA,PM,r,m,v,L);
WRITELN;
WRITE(BLOC,'D = ',D;4;2,BLOC,' LAMBDA = ',M;6;4,' + ',V;6;4,' a ');
WRITELN(BLOC,' r = ',r;7;5);
WRITELN;
WRITELN(BLOC,'LIMITE SUPERIOR DE LA INTEGRAL = ',LIMSUP);
A:=0;
FOR J:=2 TO LIMSUP DO A:=A+EXP(-(J-0.5)*(M+V*(J-0.5)/2));
A:=D+A*EXP(D*(M+V)/2);
WRITELN;
WRITE(BLOC,'EL VALOR DE A ES: ',A;5;3);
WRITE('      EN EL AÑO 19');
READLN(ENTER);WRITELN;
WRITE('QUIERES HACER OTRA REGRESION (S/N) ');
REPEAT READ(BO,CAR) UNTIL CAR IN ('S','N','E','n');
IF CAR IN ('S','E') THEN BEGIN CLRSCL; GOTO REGRESA END;
END. ( MAIN PROGRAM )

```

CORRIDA DEL PROGRAMA SARBETON, DES PARE EL AÑO 1977.

GRUPO ETARIO	# DE CASOS	SUSCEPT. %	CARBON	SEROPOS %	PR (SEROPOS)
0 - 1	3197.0	85.84	0.1527	14.18	0.1418
1 - 2	3146.0	71.89	0.1773	38.11	0.1854
2 - 3	2859.0	59.33	0.1938	49.77	0.1288
3 - 4	2494.0	48.38	0.2028	51.84	0.1087
4 - 5	2091.0	39.19	0.2103	60.81	0.0917
5 - 10	3473.0	14.95	0.1928	65.05	0.2424
10 - 15	2347.0	3.85	0.2817	96.35	0.1129
15 Y MAS	825.0				
S/ESPEC	0.0				
TOTAL	22575.0				

PRESTIONE (RETORNO) PARA CONTINUAR O.E.

GRUPOS DE EDAD QUE SE CONSIDERAN EN LA REGRESION = 7

$D = 0.56$ CARBON = $0.1811 + 0.0087 a$ $r = 0.90245$

LIMITE SUPERIOR DE LA INTEGRAL = 15

EL VALOR DE A ES: 2.103

EN EL AÑO 1977

CORRIDA DEL PROGRAMA SAMPLIUN.TES PARA EL AÑO 1980.

GRUPO ETARIO	# DE CASOS	SUSCEPT. %	LAMBDA	SEROPTVS %	PROSEROPTVOS
0 - 1	1339.0	84.37	0.1713	15.73	0.1573
1 - 5	4710.0	39.51	0.1887	57.35	0.4488
5 - 15	3005.0	4.73	0.2080	93.05	0.2422
15 - 45	503.0	0.15	0.1057	99.61	0.0476
45 - 65	16.0	0.04	0.0905	99.98	0.0015
65 y MAS	4.0				
S/ESPEC	0.0				
TOTAL	10945.0				

GRUPOS DE EDAD QUE SE CONSIDERAN EN LA REGRESION = 4

$$b = 0.55 \quad \text{LAMBDA} = 0.1768 + -0.0025 a \quad r = -0.75139$$

LIMITE SUPERIOR DE LA INTEGRAL = 15

EL VALOR DE A ES: 51.329

EN EL AÑO 1980

CORRIDA DEL PROGRAMA SAMPLIUN.TES PARA EL AÑO 1981.

GRUPO ETARIO	# DE CASOS	SUSCEPT. %	LAMBDA	SEROPTVS %	PROSEROPTVOS
0 - 1	1278.0	84.03	0.1740	15.97	0.1597
1 - 5	4608.0	42.85	0.1895	57.35	0.4136
5 - 15	4218.0	4.78	0.2189	95.22	0.3788
15 - 45	424.0	0.97	0.0532	99.03	0.0361
45 - 65	20.0	0.77	0.0102	97.21	0.0018
65 y MAS	15.0				
S/ESPEC	89.0				
TOTAL	11136.0				

GRUPOS DE EDAD QUE SE CONSIDERAN EN LA REGRESION = 4

$$b = 0.56 \quad \text{LAMBDA} = 0.2005 + -0.0043 a \quad r = -0.81554$$

LIMITE SUPERIOR DE LA INTEGRAL = 15

EL VALOR DE A ES: 5.412

EN EL AÑO 1981

CORRIJÓ DEL PROGRAMA SARPION, TES PARA EL AÑO 1982.

GRUPO ETARIO	# DE CASOS	SUSCEPT. %	LAMBDA	SEROPOS %	PRECEPTIVO
0 - 1	923.5	89.49	0.1585	14.51	0.1451
1 - 5	2225.0	50.51	0.1110	49.91	0.1456
5 - 15	2736.0	7.53	0.1903	72.47	0.1299
15 - 45	530.0	1.72	0.0992	98.25	0.0261
45 - 65	25.0	1.33	0.0130	98.67	0.0039
65 Y MAS	3.0				
S/ESPEC	81.5				
TOTAL	6564.0				

GRUPOS DE EDAD QUE SE CONSIDERAN EN LA REGRESION = 4

$$D = 0.55 \quad \text{LAMBDA} = 0.1700 + -0.0035 a \quad r = -0.75183$$

LIMITE SUPERIOR DE LA INTEGRAL = 15

EL VALOR DE A ES: 5.094

EN EL AÑO 1982

CORRIJÓ DEL PROGRAMA SARPION, TES PARA EL AÑO 1983.

GRUPO ETARIO	# DE CASOS	SUSCEPT. %	LAMBDA	SEROPOS %	PRECEPTIVO
0 - 1	525.5	84.31	0.1707	15.89	0.1589
1 - 5	1230.5	48.06	0.1405	51.94	0.3624
5 - 15	1342.0	8.22	0.1766	91.78	0.3985
15 - 45	233.0	1.30	0.0815	98.70	0.0692
45 - 65	19.0	0.74	0.0284	99.26	0.0056
65 Y MAS	9.0				
S/ESPEC	10.5				
TOTAL	3368.0				

GRUPOS DE EDAD QUE SE CONSIDERAN EN LA REGRESION = 4

$$D = 0.55 \quad \text{LAMBDA} = 0.1750 + -0.0035 a \quad r = -0.87357$$

LIMITE SUPERIOR DE LA INTEGRAL = 15

EL VALOR DE A ES: 5.937

EN EL AÑO 1983

CORRIDA DEL PROGRAMA SAMPION.TES PARA EL AÑO 1984.

GRUPO ETARIO	# DE CASOS	SUSCEPT. %	LAMBDA	SEROPITS %	PR(SEROPTIVO)
0 - 1	795.0	89.59	0.1574	15.41	0.1541
1 - 5	2087.0	44.07	0.1629	55.91	0.4050
5 - 15	1631.0	6.59	0.1636	91.41	0.3550
15 - 45	373.0	1.36	0.0615	98.84	0.0723
45 - 65	38.0	0.62	0.0391	99.38	0.0074
65 Y MAS	1.0				
S/ESPEC	31.0				
TOTAL	5158.0				

GRUPOS DE EDAD QUE SE CONSIDERAN EN LA REGRESION = 4

$$D = 0.66 \quad \text{LAMBDA} = 0.1791 + -0.0037 a \quad r = -0.95990$$

LIMITE SUPERIOR DE LA INTEGRAL = 15

EL VALOR DE A ES: 5.876 EN EL AÑO 1984

CORRIDA DEL PROGRAMA SAMPION.TES PARA EL AÑO 1985.

GRUPO ETARIO	# DE CASOS	SUSCEPT. %	LAMBDA	SEROPITS %	PR(SEROPTIVO)
0 - 1	2829.4	85.46	0.1571	14.54	0.1454
1 - 5	6804.4	50.49	0.1315	49.51	0.3497
5 - 15	8359.0	7.54	0.1902	92.46	0.4295
15 - 45	1123.0	1.77	0.0483	98.23	0.0577
45 - 65	78.0	1.37	0.0128	98.63	0.0040
65 Y MAS	19.0				
S/ESPEC	247.2				
TOTAL	19480.0				

GRUPOS DE EDAD QUE SE CONSIDERAN EN LA REGRESION = 4

$$D = 0.66 \quad \text{LAMBDA} = 0.1705 + -0.0036 a \quad r = -0.78514$$

LIMITE SUPERIOR DE LA INTEGRAL = 15

EL VALOR DE A ES: 5.091 EN EL AÑO 1985

CORRIDA DEL PROGRAMA SAMPION.TES PARA EL AÑO 1986.

GRUPO ETARIO	# DE CASOS	SUSCEPT. %	LAMBDA	SEROPTVS %	PR(SEROPTVO)
0 - 1	1208.0	86.40	0.1462	13.40	0.1360
1 - 5	2979.0	52.87	0.1228	47.13	0.3354
5 - 15	2479.0	13.70	0.1350	86.30	0.3916
15 - 45	706.0	5.75	0.0289	94.25	0.0795
45 - 65	27.0	5.45	0.0027	94.55	0.0030
65 Y MAS	13.0				
S/ESPEC	471.0				
TOTAL	6883.0				

GRUPOS DE EDAD QUE SE CONSIDERAN EN LA REGRESION = 4

$$D = 0.66 \quad LAMBDA = 0.1498 + -0.0036 a \quad r = 0.95072$$

LIMITE SUPERIOR DE LA INTEGRAL = 15

EL VALOR DE A ES: 6.759 EN EL AÑO 1986

CORRIDA DEL PROGRAMA SAMPION.TES PARA EL AÑO 1987.

GRUPO ETARIO	# DE CASOS	SUSCEPT. %	LAMBDA	SEROPTVS %	PR(SEROPTVO)
0 - 1	454.0	85.61	0.1553	14.39	0.1439
1 - 5	690.0	57.41	0.0999	42.59	0.2820
5 - 15	1075.0	23.35	0.0900	76.65	0.3406
15 - 45	184.0	16.16	0.0084	81.84	0.0520
45 - 65	12.0	17.76	0.0011	82.22	0.0038
65 Y MAS	7.0				
S/ESPEC	554.0				
TOTAL	3156.0				

GRUPOS DE EDAD QUE SE CONSIDERAN EN LA REGRESION = 4

$$D = 0.66 \quad LAMBDA = 0.1354 + -0.0043 a \quad r = -0.95317$$

LIMITE SUPERIOR DE LA INTEGRAL = 15

EL VALOR DE A ES: 7.358 EN EL AÑO 1987

TABLA A. AÑOS DE ESTUDIO DE LA DINÁMICA DE SARAMPIÓN Y ALGUNAS CANTIDADES RELEVANTES DE LOS MISMOS.

AÑO	% DE CASOS REPORTADOS 0-15 AÑOS	FUERZA DE LA INFECCIÓN	PROBABILIDAD DE SER SEROPositIVO 1-5 AÑOS	PROBABILIDAD DE SER SEROPositIVO 1-15 AÑOS
1977	96.35 %	0.0087	0.4565	0.8218
1980	95.05 %	-0.0025	0.4466	0.7932
1981	95.22 %	-0.0043	0.4138	0.7926
1982	92.47 %	-0.0035	0.3496	0.7755
1983	91.78 %	-0.0035	0.3624	0.7609
1984	91.41 %	-0.0037	0.4050	0.7600
1985	92.46 %	-0.0036	0.3497	0.7792
1986	86.3 %	-0.0038	0.3354	0.7270
1987	76.65 %	-0.0043	0.2820	0.6226
PROM.	90.85 %	-0.0023	0.3790	0.7596

FUENTE: DIRECCIÓN GENERAL DE EPIDEMIOLOGÍA / SSA.

RESULTADOS

Los principales resultados de esta tesis son:

- 1) Una fórmula para el número de individuos inmunes de edad específica, que es

$$Z(a) = \gamma \int_0^a Y(a') e^{m(a')} da'$$

- 2) Una fórmula para el número de individuos inmunes en el "grupo de edad i", que es

$$\bar{Z}_i = \gamma \sum_{i-1}^{\infty} \Delta_i + X(0) \exp(-\psi_{i-1}) \left\{ \Delta_i + [\exp(-\lambda_i \Delta_i) - 1] / \lambda_i \right\}$$

- 3) Se encontró que hay una buena relación lineal entre la fuerza de la infección y la edad, en todos los años de estudio.
- 4) La pendiente de la fuerza de la infección, λ , ha disminuido con los años. Esto se refleja en los perfiles serológicos correspondientes, pues en estos puede apreciarse que cada vez menos niños adquieren el sarampión FIG. (IV.4).
- 5) Se encontró que la edad promedio de la infección, A , aumenta con los años FIG. (IV.5).
- 6) Se logró automatizar el cálculo de cantidades relevantes como son: la fuerza de la infección por grupo de edad, la proporción de individuos seropositivos y la edad promedio de la infección

D I S C U S I O N

Como un primer intento de entender la dinámica de poblaciones del sarampión en México, la tesis se basa principalmente en el modelo matemático de R. Anderson y R. Hay, este modelo por ser originario de un país desarrollado considera una tasa neta de mortalidad, μ , de tipo I la cual no es adecuada para México.

Considerando que la fuerza de la infección, λ , es constante por pedazos y que el sarampión esta en equilibrio endémico se logra lo siguiente:

Se estudia teóricamente y con detalle la dinámica del sarampión introduciendo para esto grupos de edad. Se dan formulas para calcular el número de cada uno de los tipos de individuos de edad específica.

Se logró calcular la fuerza de la infección por grupo de edad usando datos de México (proporcionados por el INSP- CISFI) y sorprendentemente se encontró que la fuerza de la infección es una función de la edad (i. e. $\lambda = m + va$) en cada año de estudio (1977, 1980-1987). Tomando en cuenta que una mejor aproximación para, λ , es

$$\lambda = \begin{cases} 0 & ; a \leq D \\ m + va & ; a \geq D \end{cases}$$

se calculó la edad promedio de la infección, resultando que esta cantidad tiende a aumentar con los años.

Se discute y se da un rango de edad en el cual vacunar contra el sarampión.

Se hace un programa de computadora que calcula rápida y eficientemente algunas cantidades relevantes como son:

- la fuerza de la infección en cada grupo de edad
- los parámetros m y v tales que $\lambda = m + va$
- la proporción de individuos seropositivos en cada grupo de edad
- la edad promedio de la infección.

Se hicieron con detalle la mayoría de los pasos matemáticos esperando que así la tesis pueda ser leída no sólo por matemáticos, sino también por investigadores en salud pública como una invitación a ir hacia el entendimiento de la dinámica del sarampión en el mundo en desarrollo através de estudios analíticos.

A P E N D I C E A

Recordemos las siguientes formulas:

$$(1) \quad \lambda(a) = \int_0^{\infty} \beta(a, a') Y(a') da'$$

$$(2.2) \quad H(a) = X(0) \ell(a) \int_0^a \lambda(a') e^{-\sigma(a-a')} - \phi(a') da'$$

$$(2.3) \quad Y(a) = \sigma \ell(a) \int_0^a H(a') e^{m(a')} - \gamma(a-a') da'$$

Si sustituimos la ecuación (2.2) en (2.3) obtenemos lo siguiente

$$Y(a) = \sigma \ell(a) X(0) \int_0^a da' \int_0^{a'} \lambda(a_1) e^{-\sigma(a'-a_1)} - \phi(a_1) e^{-\gamma(a-a')} da_1$$

Y si sustituimos esta ultima expresion de Y(a) en (1.2) llegamos a que

$$(A1) \quad \lambda(a) = \int_0^{\infty} \beta(a, a') \sigma \ell(a') X(0) \left\{ \int_0^{a'} da_2 \dots \dots \int_0^{a_2} \lambda(a_1) e^{-\sigma(a_2-a_1)} - \phi(a_1) e^{-\gamma(a'-a_2)} da_1 \right\} da'$$

O lo que es lo mismo

$$(A2) \quad \lambda(a) = \sigma \chi(0) \int_0^{\infty} \int_0^{a'} \int_0^{a_2} \beta(a, a') \mathcal{L}(a') \dots \\ \dots e^{-\sigma(a_2 - a_1)} e^{-\gamma(a' - a_2)} e^{-\phi(a_1)} \lambda(a_1) da_1 da_2 da'$$

Haciendo un dibujo de la región sobre la que se esta integrando observamos que si intercambiamos las variables a_1 y a' , la función $\lambda(a)$ se transforma a

$$(A3) \quad \lambda(a) = \sigma \chi(0) \int_0^{\infty} \int_{a_2}^{\infty} \int_{a_1}^{\infty} \beta(a, a_1) \mathcal{L}(a_1) \dots \\ \dots e^{-\sigma(a_2 - a')} e^{-\gamma(a_1 - a_2)} e^{-\phi(a')} \lambda(a') da da_2 da_1'$$

Por ultimo si renombramos a_2 por t y a_1 por s , llegamos a que

$$(A4) \quad \lambda(a) = \sigma \chi(0) \int_0^{\infty} B(a, a') \lambda(a') e^{-\phi(a')} da'$$

En donde el núcleo $B(a, a')$ está dado por

$$B(a, a') = \int_t^{\infty} ds \int_a^{\infty} dt \beta(a, s) e^{-\gamma(s - t)} e^{-\phi(t - a')} e^{-m(s)} dt ds$$

APENDICE SOBRE LA DIFUSION

Sabemos que la duracion promedio del periodo latente y del periodo infeccioso es de una semana cada uno aproximadamente mientras que la edad promedio de la infeccion es de al menos unos años. Por lo que

(B1) $\sigma \approx \gamma$

(2.8) $\sigma, \gamma \gg \lambda$

Recordemos lo siguiente:

(2.1) $X(a) = X(0) \ell(a) e^{-\phi(a)}$

(2.2) $H(a) = X(0) \ell(a) \int_0^a \lambda(a') e^{-\sigma(a-a') - \phi(a')} da'$

(2.3) $Y(a) = \sigma \ell(a) \int_0^a H(a') e^{m(a')} - \gamma(a-a') da'$

Si suponemos λ constante y sustituimos (2.2) en (2.3) llegamos a que

$Y(a) = \sigma X(0) \lambda \ell(a) \int_0^a \int_0^{a'} e^{-\sigma(a'-a_1) - a_1 \lambda - \gamma(a-a')} da_1 da'$

Esto nos conduce a lo siguiente (véase (B1))

$Y(a) \approx \sigma X(0) \lambda \ell(a) \int_0^a \int_0^{a'} e^{-a \gamma} e^{-a_1(\sigma - \lambda)} da_1 da'$

De modo que

$$Y(a) \approx \sigma \cdot (0) \lambda \ell(a) e^{-a\gamma} \int_0^a \left[\left(e^{-a'(\sigma-\lambda)} - 1 \right) / (\sigma - \lambda) \right] da'$$

Y resolviendo la integral que aparece en $Y(a)$ resulta que

$$Y(a) = \frac{\sigma}{\sigma - \lambda} X(0) \lambda \ell(a) \frac{e^{-a(\sigma-\lambda)} - e^{-a\gamma}}{\sigma - \lambda} - a e^{-a\gamma}$$

Observemos que

$$\gamma \approx 365/7 \quad \Rightarrow \quad e^{-a\gamma} \approx 0$$

$$\sigma \approx \gamma \quad \Rightarrow \quad \sigma - \gamma \approx 0$$

$$\frac{\sigma}{\sigma - \lambda} \approx 1$$

En consecuencia tenemos que

$$Y(a) = \frac{\lambda}{\sigma - \lambda} X(0) \ell(a) e^{-a\lambda}$$

Y tomando en cuenta (B1) llegamos a que

$$Y(a) = \frac{\lambda}{\gamma} X(a)$$

REFERENCIAS

[1] The Mathematical Theory of Infectious Diseases and its Applications.

Autor: Norman T. Bailey, M. A., D. Sc.

Charles Griffin and Company LTD, London and High Wycombe

[2] The Journal of Higiene-Cambridge, University Press, 1985

Pags. 365-436 Age Related Changes in the Rate of Disease Transmission: Implications for the design of vaccination programmes.

Autores: R. M. Anderson y R. H. May

[3] Edad Optima de Vacunación al Sarampión

Autores: Marco José V. y Jesús Kumate.

Revista de Salud Pública en Prensa, México, 1988.

[4] Growth and Regulation of Animal Population.

Autor: Laurence B. Slobodkin

Dover Publications Inc.

New York.

[5] LIFE CONTINGENCIES

Autor: Chester Wallace Jordan, Jr.

The Society of Actuaries, 1975.